Figure 1

Amino acid sequence of GCLM (NP_002052.1; SEQ ID No: 10)

```
MGTDSRAAKA LLARARTLHL QTGNLLNWGR LRKKCPSTHS EELHDCIQKT LNEWSSQINP
61 DLVREFPDVL ECTVSHAVEK INPDERBEMK VSAKLFIVES NSSSTRSAV DMACSVLGVA
121 QLDSVIIASP PIEDGVNLSL EHLQPYWEEL ENLVQSKKIV AIGTSDLDKT QLEQLYQWAQ
181 VKPNSNQVNL ASCCVMPPDL TAFAKQFDIQ LLTHNDPKEL LSEASFQEAL QESIPDIQAH
241 EWVPLWLLRY SVIVKSRGII KSKGYILQAK RRGS
```

Amino acid sequence of GSS (NP_000169.1; SEQ ID No: 11)

```
MATNWGSLLQ DKQQLEELAR QAVDRALAEG VLLRTSQEPT SSEVVSYAPF TLFPSLVPSA
LLEQAYAVQM DFNLLVDAVS QNAAFLEQTL SSTIKQDDFT ARLFDIHKQV LKEGIAQTVF
LGLNRSDYMF QRSADGSPAL KQIEINTISA SFGGLASRTP AVHRHVLSVL SKTKEAGKIL
SNNPSKGLAL GIAKAWELYG SPNALVLLIA QEKERNIFDQ RAIENELLAR NIHVIRRTFE
LDISEKGSLDQ DRRLFVDGQE IAVVYFRDGY MPRQYSLQNW EARLLLERSH AAKCPDIATQ
LAGTKKVQQE LSRPGMLEML LPGQPEAVAR LRATFAGLYS LDVGEEGDQA IAEALAAPSR
LTVLKPQREGG GNNLYGEEMV QALKQLKDSE ERASYILMEK IEPEPFENCL LRPGSPARVV
COISELGIFG VYVROEKTLV MNKHVGHLLR TKAIEHADGG VAAGVAVLDN PYPV
```

Amino acid sequence of GPX1 (NP_000572.2, SEQ ID No: 12)

```
MCAARLAAAA AQSVYAFSAR PLAGGEPVSL GSLRGKVLLI ENVASLXGTT VRDYTQMNEL QRRLGPRGLV VLGFPCNQFG HQENAKNEEI LNSLKYVRPG GGFEPNFMLF EKCEVNGAGA 121 HPLFAFLREA LPAPSDDATA LMTDPKLITW SPVCRNDVAW NFEKFLVGPD GVPLRRYSRR 181 FQTIDIEPDI EALLSQGPSC A
```

Amino acid sequence of system Xc (NP_055146, xCT; SEQ ID No: 13)

```
MVRKPVVSTI SKGGYLQGNV NGRLPSLGNK EPPGQEKVQL KRKVTLLRGV SIIIGTIIGA
GIFISPKGVL QNTGSVGMSL TIWTVCGVLS LFGALSYAEL GTTIKKSGGH YTYILEVFGP
L21 LPAFVRVWVE LLIIRPAATA VISLAFGRYI LEPFFIQCEI PELAIKLITA VGITVVMVLN
SMSVSWSARI QIFLTFCKLT AILIIIVPGV MQLIKGQTQN FKDAFSGRDS SITRLPLAFY
YGMYAYAGWF YLNFVTEEVE NPEKTIPLAI CISMAIVTIG YVLTNVAYFT TINAEELLLS
NAVAVTFSER LLGNFSLAVP IFVALSCFGS MNGGVFAVSR LFYVASREGH LPEILSMIHV
RKHTPLPAVI VLHPLTMIML FSGDLDSLLN FLSFARWLFI GLAVAGLIYL RYKCPDMHRP
FKVPLFIPAL FSFTCLFMVA LSLYSDPFST GIGFVITLTG VPAYYLFIIW DKKPRWFRIM
SEKITRTLQI ILEVVPEEDK L
```

Figure 2

Nucleic acid sequence of GCLM (SEQ ID No: 14)

1	ggcacgaggc	tgcggccgca	gtagccggag	ccggagccgc	agccaccggt	gccttccttt
61	cccgccgccg	cccagccgcc	gtccggcctc	cctcgggccc	gagcgcagac	caggctccag
121	ccgcgcggcg	ccggcagcct	cgcgctccct	ctcgggtctc	tctcgggcct	cgggcaccgc
181	gtcctgtggg	cggccgcctg	cctgcccgcc	cgcccgcagc	cccttgcctg	ccggcccctg
241	ggcggcccgt	gccatgggca	ccgacagccg	cgcggccaag	gcgctcctgg	cgcgggcccg
301	caccctgcac	ctgcagacgg	ggaacctgct	gaactggggc	cgcctgcgga	agaagtgccc
361	gtccacgcac	agcgaggagc	ttcatgattg	tatccaaaaa	accttgaatg	aatggagttc
421	ccaaatcaac	ccagatttgg	tcagggagtt	tccagatgtc	ttggaatgca	ctgtatctca
481					aaagtttctg	
541	cattgtagaa	tcaaactctt	catcatcaac	tagaagtgca	gttgacatgg	cctgttcagt
601	ccttggagtt	gcacagctgg	attctgtgat	cattgcttca	cctcctattg	aagatggagt
661	taatctttcc	ttggagcatt	tacagcctta	ctgggaggaa	ttagaaaact	.tagttcagag
721					acacagttgg	
781	tcagtgggca	caggtaaaac	caaatagtaa	ccaagttaat	cttgcctcct	gctgtgtgat
841	gccaccagat	ttgactgcat	ttgctaaaca	atttgacata	cagctgttga	ctcacaatga
901	tccaaaagaa	ctgctttctg	aagcaagttt	ccaagaagct	cttcaggaaa	gcattcctga
961	cattcaagcg	cacgagtggg	tgccgctgtg	gctactgcgg	tattcggtca	ttgtgaaaag
1021					aaaagaaggg	
1081	gacttaggag	cataacttac	ctgtaatttc	cttcaatatg	agagaaaatt	gagatgtgta
1141					tattctttcg	
1201					ccatatcaat	
1261					tgaaattgtc	
1321					taaatcaaga	
1381	ttagatatat	tttggcctag	gtatcagggt	aatgtatata	catattttt	atttccaaaa
1441					caatttaatt	
1501	aaactgaaat	actggaagaa	gatattttc	ctgtcattga	tgagatatat	cagagtaact
1561	ggagtagctg	ggatttacta	gtagtgtaaa	taaaattcac	tcttcaatac	

Figure 3

Nucleic acid sequence of GSS (SEQ ID No: 15)

1	gaggccccgc	cccctgagcc	tgggtagcgg	cgcgagggcc	gggagaaccg	ttcgcggagg
61	aaaggcgaac	tagtgttggg	atggccacca	actgggggag	cctcttgcag	gataaacagc
121	agctagagga	gctggcacgg	caggccgtgg	accgggccct	ggctgaggga	gtattgctga
181	ggacctcaca	ggagcccact	tcctcggagg	tggtgagcta	tgccccattc	acgetettee
241	cctcactggt	ccccagtgcc	ctgctggagc	aagcctatgc	tgtgcagatg	gacttcaacc
301	tgctagtgga	tgctgtcagc	cagaacgctg	ccttcctgga	gcaaactctt	tccagcacca
361	tcaaacagga	tgactttacc	gctcgtctct	ttgacatcca	caagcaagtc	ctaaaagagg
421	gcattgccca	gactgtgttc	ctgggcctga	atcgctcaga	ctacatgttc	cagcgcagcg
481	cagatggctc	cccagccctg	aaacagatcg	aaatcaacac	catctctgcc	agctttgggg
541	gcctggcctc	ccggacccca	gctgtgcacc	gacatgttct	cagtgtcctg	agtaagacca
601	aagaagctgg	caagatcctc	tctaataatc	ccagcaaggg	actggccctg	ggaattgcca
661	aagcctggga	gctctacggc	tcacccaatg	ctctggtgct	actgattgct	caagagaagg
721	aaagaaacat	atttgaccag	cgtgccatag	agaatgagct	actggccagg	aacatccatg
781	tgatccgacg	aacatttgaa	gatatctctg	aaaaggggtc	tctggaccaa	gaccgaaggc
841	tgtttgtgga	tggccaggaa	attgctgtgg	tttacttccg	ggatggctac	atgcctcgtc
901	agtacagtct	acagaattgg	gaagcacgtc	tactgctgga	gaggtcacat	gctgccaagt
961	gcccagacat	tgccacccag	ctggctggga	ctaagaaggt	gcagcaggag	ctaagcaggc
1021	cgggcatgct	ggagatgttg	ctccctggcc	agcctgaggc	tgtggcccgc	ctccgcgcca
1081	cctttgctgg	cctctactca	ctggatgtgg	gtgaagaagg	ggaccaggcc	atcgccgagg
1141	cccttgctgc	ccctagccgg	tttgtgctaa	agccccagag	agagggtgga	ggtaacaacc
1201					ggacagtgag	
1261	cctacatcct	catggagaag	atcgaacctg	agccttttga	gaattgcctg	ctacggcctg
1321	gcagccctgc	ccgagtggtc	cagtgcattt	cagagetggg	catctttggg	gtctatgtca
1381	ggcaggaaaa	gacactcgtg	atgaacaagc	acgtggggca	tctacttcga	accaaagcca
1441	tcgagcatgc	agatggtggt	gtggcagcgg	gagtggcagt	cctggacaac	ccataccctg
1501	tgtgagggca	caaccaggcc	acgggacctt	ctatcctctg	tatttgtcat	tcctctccta
1561	gccctcctga	ggggtatcct	cctaaagacc	tccaaagttt	ttatggaagg	gtaaatactg
1621	gtaccttccc	ccagctttcc	atctgaggac	cagaaaagtt	gtgtctccct	tagatgagat
1681					ggtaagctgc	
1741					agccttttca	
1801	gtgcctgact	tgggatagga	ctgagtggta	ggaggagggg	gagtggaggg	gcatagcctt
1861	tccctaattc	tgccttaaat	aaaactgcat	tgctgattca	aaaaaaaaa	aaaaaaa

Figure 4

Nucleic acid sequence of GPX1 (SEQ ID No: 16)

```
cgaccceteg aggggcccag cettggaagg gtaactggac egetgeegec tggttgeetg ggccagacca gacatgeetg etgeteette eggettagga ggagcaegeg teeégetegg
61
121
     gegeactete cageetttte etggetgagg aggggeegag ceteeggtag ggeggggee
     ggatgaggcg ggacctcagg cccggaaaac tgcctgtgcc acgtgacccg ccgccggcca
241
     gttaaaagga ggcgcctgct ggcctcccct tacagtgctt gttcggggcg ctccgctggc
301
     ttettggaca attgegecat gtgtgetget eggetagegg eggeggegge ecagteggtg
     tatgccttct cggcgcgccc gttggccggc ggggagcctg tgagcctggg ctccctgcgg ggcaaggtac tacttatcga gaatgtggcg tccctctgag gcaccacggt ccgggactac
361
421
     accoagatga acgagetgca geggegeete ggaceceggg geetggtggt geteggette
481
     ccgtgcaacc agtttgggca tcaggagaac gccaagaacg aagagattct gaattccctc
601
     aagtacgtcc ggcctggtgg tgggttcgag cccaacttca tgctcttcga gaagtgcgag
661
    gtgaacggtg cgggggggca ccctctcttc gccttcctgc gggaggccct gccagctccc
721
     agegacgacg ceacegeget tatgacegac cecaagetea teacetggte teeggtgtgt
     cgcaacgatg ttgcctggaa ctttgagaag ttcctggtgg gccctgacgg tgtgccccta
781
841 cgcaggtaca gccgccgctt ccagaccatt gacatcgagc ctgacatcga agccctgctg
    tctcaagggc ccagctgtgc ctagggcgcc cctcctaccc cggctgcttg gcagttgcag
961 tgctgctgtc tcgggggggt tttcatctat gagggtgttt cctctaaacc tacgagggag
1021 gaacacettg atettacaga aaataccace tegagatggg tgetggteet gttgatecca
1081 gtctctgcca gaccaaggcg agtttcccca ctaataaagt gccgggtgtc agca
```

Figure 5 Nucleic acid sequence of system Xc (xCT; SEQ ID No: 17)

1	atggtcagaa	agcctgttgt	gtccaccatc	tccaaaggag	gttacctgca	gggaaatgtt
61					ggcaggagaa	
121					ttggcaccat	
181					gcagcgtggg	
241					ctttgtctta	
301					ttttggaagt	
361					tacgccctgc	
421	_				tttttattca	_
481					ctgtagtgat	
541					taaccttttg	
601					ttaaaggtca	
661					ggttgccact	
721					ttgttactga	
781					tggccattgt	
841					ctgaggagct	
901					atttctcatt	
961					gtgtgtttgc	
1021		_			tcctctccat	
1081	_			_	ctttgacaat	-
1141					ttgccaggtg	
1201					gcccagatat	
1261					catgoctott	
1321		_			tegteateac	
1381					ccaggtggtt	
1441					ttgtaccaga	
1501					ggggagacac	
1621	tttttacttc				tttctaagaa	
1681					atgagtcgca	
1741	-	-		_		_
1801					gacaattact	
	tatatatggg				tgaagactga	
1921						
1981					aagaggagag	
2041		_	_	•	tttagataac	
	ttanaga	attacaccca	gageactitg	aacaaaggcc	agtggggatt	grigaaraca
2101	ccaaayaaya	gcccctaggg	getaetgett	atgagacaca	tccaggagtt	atguttaagu
2161 2221					tcattatcag	
					aagtgtataa	
	agcaagagtt			_	-	
2341	_		-	_	ttcaaattac	
2401					tcccatatct	
	ctacatgcaa					
2521					attettetgt	
	cttcagatga					
2641					tagáaaattt	
2701					tcaacttgca	
2761					gtttgtgttc	
2821					ggcttacatc	
2881					gagttctaga	
2941	caacatggag	aaaccccatc	tctactaaaa	atacaaaatt	agctgggcat	ggtggcacat
3001	gctggtaatc	ccagctattg	aggaggctga	ggcaggagaa	ttgcttgaac	ccgggaggcg
3061				gtactccagc	ctgggtgaca	aagtcagact
3141	ccatctccaa	aaaaaaaaaa	aaaa	0		

Figure 6: Nucleic acid sequence of GCLM: NT_028050, position 9380597-9403950.

(SEQ ID No: 18)

ATCAAAATGTGTTTAAGTAGTGGTGGTGCTTGTGGGTAGCTCTTTCACTATAATAAAAAA TCAATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAGCGCAAGCTCGTTCAATGAACTCTTACCATC ATTCATTCAGCCAACAATATTTACTCAACATCAGGCTCAATTTCTAACTTCCTAGAAAG ATCTTTTTCCCATCCCTCCCTAATTCTTACCATTTTACCAACTGGTTCATCTCTCTTT TCAATAGCTATATTGTCCCCGCTTATAATGAGAATCTCATTTTGCCTTTAATAATCTGAT TCACCTCAACGAATGTGAAAGATTGTTGAGGAAAGCTCAATACATGTTCAATTTGATGTT TATACCGAGTCCACCACCACACGTGAAATTTAATAGGGGTAAATAATCTCGACCACCTCT AAAGGGGTGGGTGATAAAAGCTTTCTGTGATCTCACCGGCTCAAGTGTCCTCTTTAATCT GAATTCATCTGGAGAATAACTGCCCTATGATGTTCTTATAAAATTACTTGTTTCCTGTGC TTAGAACTTGTCTCTGGGTAGAGTGTACGCGTCTCAAGGGCAAAGACTCAGTCTTGTTCG TTGACTTCACACACTGCCAGCAAATAATGTGAATCAATAGACCTTTAACGGATGAAGAAA AATTAGCAGTTTGGGAGAAGGTCCTTGAAGGTAGCAAAGCGAAAAGAAGAAGAGGGGGCGCT TGCGCATAAACAGCTGCTTCTGAGAACGAAAACTACGTAGCATTTCCGAGTCCCGGTGGC CGCTCAGGCTGCCCTTTAAAGAGACGTGTAGGAAGCCCACCCTGGGGCGGCCGTGGGCGG AGCCGCGACCTGAACGCCGGGAGACCTCACCAGGCGGAGGCGGTGTCTACCTCACCAGGC GGAGGCGGTGTCTCGCGCTGTCCTCTGACCGCCAGGGGGAGCCCTGCCGCGCTG CGCTCCGGGCCGCCGCCACGCTCTCTCGACCCGCGCGCCCCGCGCGCACCACCCGTCG CCACGCCGCCGCAGGCCAAGGGCCAGTCACTTGCGGGCCGGCGTCCCGCAGCCCATTCG CGCCCGCCCTGCCCGCGCGGGATGAGTAACGGTTACGAAGCACTTTCTCGGCTACG ATTTCTGCTTAGTCATTGTCTTCCAGGAAACAGCTCCCTCAGTTTGGAATCAGCTCTCCC CGCCCAGCCGCCGTCCGGCCTCCCTCGGGCCCGAGCCGCAGACCAGGCTCCAGCCGCGCG CGCCGCAGCCTCGCGCTCCCCTCTCGGGTCTCTCTCGGGCCTCGGGCACCGCGTCCTGTG CGCTGCCATGGGCACCGACAGCCGCGCGCCAAGGCGCTCCTGGCGCGGGCCCGCACCCT GCACCTGCAGACGGGAACCTGCTGAACTGGGGCCGCCTGCGGAAGAAGTGCCCGTCCAC GCACAGCGAGGAGGTGAGCGTGGCGACACTCGCCGCGGGGCTCCCGGGGCAGGCCTCGGG TCGCGCGCACCTGGGCTCCGCCCGCGGTCAGATGCTGAGGCCAGTGTCGACGCGACCTTG GGTCCAAACCCGCTGCCGAGGGCAACGCGTCTAAAAAACTTAGCCGGTGCAGCTGCGCAC TGAGTGACACCTCTCTCGGTGCTTAAGGCTGGTAGCAAAACTCTCAAACATCCTGGGTCC CTCTTCCTGGCACGGAGGTCACAGAGGGCCAGGACGTCGCTCCGTCTCTCCCACATCTC TCGCTTCCTTCCCCACCTGTCCAGGTAAAGGAATATTTTCGGAGATTATCCTTTGGTG CATTCAGATGAAGTAGTATTCATAGTACACCTAACTTTTAGAATGTTGACATTAGACTCT CTATTGCAGTGAGGCAAATGAGTAAGCACTCAATTTTGGCTTTGGAATACCCTAAATACC TACACATTCTATGCATGTAACAATATCATTGTACATTCTATGCATGTAACAGAATATCAC ATGTGCCCCATAAATATGTACAAATATAATCTATCAATTCAAAAATTAAAGTTTTGTAAA **AACTGGAAAATAAAAAGACTAGTCACTAGTTGGAGGTGACAGAGATTAATCTGGAATTAC** AAACTTGTTACCTATTTGTTGGCCATTTCTGAGCGGATAGTCATCCACTGCACATTGTGC ATATTGGTGGTATGGGACAATTTTAGTATTTAAAAAATAACAAAATCTTTAGATTTAGGA GCTATATGACTTTGGAAAATTACTTTAAAGTTGGATAATAACACCTTCCTCATCAGGTTG CATCTGGTTCCATCAGAAAGATAAATCTTAATTAAGAGAAAAACCTTCCTAAACTATGTG TGTTTAGAAAAACCTTCCTAAATCAGCTGTTTCCTAAGTGGTTTCTGCTCTTCTATG AGATGTTGGTAACAGACCATGCAGCAGCACCGGCATCCCTCTGAGTTAAGTGCTGGACC CTTTAGTAGGAATCTGAGTCTGTACCATATTCTGTGTTCACGTTCCAGCTCAGTGTGTAT GTTTTGTTTTATTTAAACCACCTACTTTGGCTGTTTCTCCCACAGATAAATATTTCTGTA TTCGGTACATAGACTCTTAATTTCTTCCAGTACTGTTGGTGGTAGTTCAATACAGAATTT

PCT/EP2005/000337

TGCACGTATATTGATATTATTGGGTGAAATTTTACCTATCTCACAATAGCATACTCTAAA GTAGTGACTCAAAAGAGTTTCTGACTGCAAACACAGTAAGAAGTACATTTTACTTTGCAA TCCAGTTAATAGTTGTATAATCAGTATATCTGAAACAGGTTTCACAAAAAGATATTAGCC TGCTCAGAGTCACACCACAGTTTGTAAAACATTGTTCAAAGGACTAATTCTGGTTTCT AGTGTTTTATTTAGGGTGCTTCATAACAGTAGGATAAAACTAAAGAAACTAGAAAACATT TCAGGAAAACTTGAAGGAATGGCATCATACTGTAGGGAAACTATGACTGCTTGGTAAGAG CAAAAGGGGAGGCACATTTTGTTTCTATGTAAAAGAACTTTGTAACACCCAGAGCTCCAA ATTGGGATGTACTACTTGGAACAGTTCCGCTTCACTGAAGAAATTAAGTAAACTGAACAA ATCACTTATTTTTGAGAAAATGTACGTGTTGGGTCAAGAGTTCAGTTAAATTTCTTACAA GGTCTCTTCTAGTTCTAATTTTTTAAAAAATGTTATGACCTCTGCCCAGATTTTTTGTCT CACTGGAATTTTATGAAATCAAATAGTTTGTAAGTGGACCATTATAGGACTGTTTTGCCC AGTTCTTTGTTGTAAGGGTGTTTGACCGGTTGAATCATGGTATTTAAAAAATTCTTATAC AACTCCAGATCTAATGGTAGGCTAAGTTGTGGTGATGCTTATACTCAGTGATATTGGGTG TGTATTATAAGAATGAAGAGCGGAGAACAAACATAAACATTAATGTTAATGACAAACA TTAACCCAAGTACAAGGTTAATGTTTAGTCAATATAGCAAACATGTAATTTACAAGATTA AAAATAATTAGGCTTGTGATAAAGTCAATGAATTTCCTACGTAATTGTAACATTAGACTG AAGAGGGTGAATACTATAAAAATAGACTTACCTTCCTGAATTGAGGAATTCATCAGGAAA GCCTCAAGTGTGCAAATGAGCCATCCTTCCAGAGGGAAATTTCTTAGAATTATCCCACGA TTTGAGCCAAAGCACTTCCGATAGAATTTTTAACCTCTAGTTGGTTCTGCTCCATT TTTACTAATTTTTAAGAAAATACTATGACTTATAATTGTATCTGGAATGATTATCAACTC CTTTTCATCCACTGACTTAAATTTGATTATAAATATGCTTTACATAAAGATCTAGACCTT ATAATTTGAATTCAAGTGAATTGTTGTGACTAGCATGTAAATTATTATTATGGATTGTAA ATCTTAACATAGGTAGTTCTGTGCCCTTAAATTGATAAACCAGTTATCTCTTGTAATCAT GTGTACTAAGATATACGTAGTAAAGTGATTGTATCAGTTTTTATCATAAGCAGTCATAGT TCAGATAGTTCAGAAGTTTAGTGTCTGCTGTTTCTATTAGGAAAGTGCTTTTGCAATTCA CACTGTGTCCTTGGTTATCTAATAAGGCAGTGATTTCAGATTGCCAGGTTTGGCCCATTA GAAGCCATTAGAGTGCCTGGCATGTTGTGAGCATAAATACCGCTTTATGACTGTTTTGTT TAATATTTGTATAAATTTTTTTTTTTTTATCTAAGAAAACATGGAAGATAGGTTAGAGGT GCACCTAAATGTTACGAAATGACTTCTGGAGTGTCATACAAGTTGAGTTCTGCAAGATAT GTCTATCCTGGTGGTTCTCAGACTTTAGAGTACGTAGATAAAGTACTCTCCTTAGGATGC TTGTTAAAATGAAAGTCCAAACTGCTCTTGGAGAATGATTCAGTGGGTCTAGGATTAGGC TCAGGAGTCTGAAATTTTAATAAACAGCACAGGTGAATCTGAGGTAGGATTTACCAGCCA CACTTATTCTCTAATAATTTAATTTGTTTTGTCTTTGAGAAATGTAGCATAGTTGTGATAT GAATTCTAGTCAGACAGCCTGGGCTTGACTCCAAGTTCCTTTGTTTATAAACCTTATTTT TGTTTCTTTATGAATGCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATAGAGTCTTGCTCTGTTG CCCAGGCTGGAATGAAATGGCATCATCTCAGCACACTATAACCTCCACCTCCTGGGTTCA AGCAAAATTGTCCTGCCTCAGCCACCCGAGTAGCTACTACAGGCCTTGCACTACTAGGCCC ACATGATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTG AACTCCTGACCTCAAGTGATTTGCCCCCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCA TGAGCCACTATACCTGGCCTATGAATGCTTTTGTGTCTCAACAGTTAGCTTAAATTTTCA CTGGTACAAAAAAGCTTTAAAGTAATTAGACAACTTCTTTAGTTCAAGAACATTTGAGA CAAATTAATATATTCTTATTGTAGAAGTACAGAAAAGTATATAGACTTTGATTAACAGTT TTCCCAAATCAACCCAGATTTGGTCAGGGTAAGTGAAATGTGAATGCAAAAATCATGCAG GTCAAAAAGGAAGTAAAGTAAACAGGAAGTTAATTTCTTCAGTTTTGTGAGGGAAGTCAA ATAGGCAATTAGCCATAAACTCTCTGTGGTTGATTTGCTGAGACGGCACTCTGATCCAGT

AGGCTTATGCATAAAACAGAAAATCTAGACCGTAGGCAACTCTTTAACCAGACAAGATAC TAGGATTCTCATGCTTAATTCTCACCATGGTTTCCTCACTATCAGTGTTTTATTTCAGTT TATATTTGGTCTAGGAGAGGAATGATTATCAATTGTGATTGGTAGATTGCTTTAGTAGAC TCAACATCACTAGAAGTAATTTTTCAAATGTCAGTTTCTGATGAAACAATAAGGAACTGT GTTCCACTAAATGTCAGTATATGGCTACTATCATAAATGTTAATGTTCAAAACCCTAAAA CACATTTTGAAATCCAACTCAGTCAAAGGCTCACAGCACATTACTTAGGCTACTTTAAAA GTATGGAAAAGGACATGTGCTGGAAATACTGGTTCCCCTGGGCATACTGCAACCATGTAA TGAAATGACTGTTTATTCTACTTATGCTTGACTTGTAAACACTTACTGAACCCCTGATAC GTGCTGTGAAAGTGCTCAAGAATCATGGGAAAGCCTTTGCCGTTTACTTTGTATGATATT GTAAATGTAAGTTAATATGTATCTGATTTATATGTACTAATATTTTCTCATTATCCTTGT **AAATTATTCATTAAAATACATTCAAATAGCCTTTTGCTTTTTTCTGCTGCACTCAGGAAAA** AAAAAGTTTTGGTTTACAATGCTTGTGATTACAGGCTGGGCGCAGTGGCTCACGCCTATA ATCCCAGCACTTTGGGAGGCTAAAGCAGGTAGATCACCTGAGGTCAGGAGTTTGAGACCA GGCGTGGTGGTACCCGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCACT TGAACCTGGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATCACACCACTGCACTCTAGCCTGAG TAAGAATAAAATGCTTGTGATTATAAAACTAAATATACTATTGTCATAAAATCAGCAATT, TGGATATTTATAGCAGCTCCATTCATAATTGCTAAAATTTGAAGCAACCAAGATGTTCTT CAGTAGGCGAGTGTATATAAATTATGAATGCATATATAAACTATCCAGACAATATAAT ATTATTCAGTGCTTAAAAGAAATGAGCTATCAAGCCATGAAAAGACATAGAGGAAACTTG AATGCATATTCTAAGTAAAAGAAGCCAATCTGAAAAAGCTACATAATGTATGATATCAA CTATTTGATATTCTGGAAAAAACAAAACTATGTAGACTATAGTTTTGCTAGTCTAGTAAA AAAAACTAGTAAAAAGATCAGTTGTTGCCAGGGGTTAGCAGGGACGGAGGGATGAATAGG CAGAGCACAGGATTTGTATGTCAATGAAACTACTGCATATGATATTGTAATGGTGGATAC ATGTTATTATATGGTTTTCTAAATCCATAAACTATGCAGCACCAAGAGTAAACCCTAAGA TAAACTGGACTTGGGTGATTATGACATGTCAATGTAGGTTCATCAAGTGTAACAAATGTA TACCACTGTGGTGGGTATGTTGATAATGGGGGAGGCTGTGTGGATGTGAGTGTAGGGAGT GAATGAGAAATCTGTTCAATCTACCTTCTACTTGATATTCTTGTGAACCTAAAACTGCTC TAAAAAAAAGTATATTTAAAAAAAAAAAAACAGGCTGGGCGCGGTGGCTCATGCCTGTA ATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATC CTGGCTAACACGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGTCAGGCGTGGC GGCGTGCACCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGACACTGAGGCAGGAGGAATGGCGTGAACCC GGGAGGCAGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGA AGAAAATGCTTGTAATTAATGTAGAACGTGTTTATTATGTCATCTAGAGTGGATATTATT TTCATTGGTTTCTTTTTAGAGTAAAATTATCTGCTGTGCTACTGTTTCTAACTCCTCACA AGAGAACTCTGTTGTCTTATAGGTTCTCTGATTCTAAAAGGCATTATGGATAATAGAAAA TTTTATAATTAATCAGAAGCATTAAATTTTATATTTGTTTTAAATATTGTGTTTATTATA GGAGTTTCCAGATGTCTTGGAATGCACTGTATCTCATGCAGTAGAAAAGATAAATCCTGA TGAAAGAGAAGAATGAAAGTTTCTGGTAAAGTCCAGTCTTTTCTGTTTATTTTGTTACA ATGTGGGAAATACAGAAATTCTTTTTTAGCATAATTTTACTTAAACTCCAAGATGGAGTT ATAAGAGGTCAGTGCTGGCTATTATATAAGAGTCAGAATAGAACTTCAACTTGCTGTTCT TCATGATGATCATCATGTCATGTAATTTATGTGTCAAACTTCAGAGCAGTAGAAAGAT TAAGATGAAGGAGATGGAAAGGATAAAGGGAAGGCTTAGAAGCAGCATCCACCCAAAGCA AGCATAAGCACCCCTTCCTGGTAAGATACTGGTAAGCAATGTGTGAGGTCACCTGGGAA TATAAAAAGAAACCTGGGCAAGTTACATGAAGAGAAAAGAAAATACTGTAACACCCATTCA

GGAAATGTAGTAAGTGACAAATTCCAGAAACTGTACTATACTCAAGGAATACAAAAATGA AAAGATGCGCCATCTCTGCCCTCACCTTACAATTAGCATAGCATAGTCATTAAAAGCTTG AGCTTTGAAGTTTCGGGGTGTGCAGATTACAGGCTAGTATAATGTTGGGCTAACAAAGAC TTTAACCTCCTGAGTCTCAGTTTTCTCTTTATAAAATGGGGATGTACCTGTTTCTCCG GCTTCTTTGTAAACTGGATGAAATAACAAAAGAAGCACTTAGCACAGTGTTTGCCTCAAA GTAAGTTCTAGGTAGCTATTATTTGCTACCATGTTGTTATTATTGTGGTTGTTGCTATTT TATTATTATTGAGATGGATAATAATAATAAATTACATGTAAGATGAGATAGGGTATTGTC TCTTTTTAATCTAATTATAGTAACTACCATTTATTGAGTCTTGCTTTGTGCCAGGCACTG TGCTTGGTACTTTATGGTTATATTTTCTCATTTAATTCTCAAGACAATCCTGCAAGTTAA GTCTGTTACTGCATTGCATTAGTGATACTAAATAACTTGAAGGTTGTCATACAACCAGTA AGTGGTTGAACCAGGAATCCACTCAGGTATGCCTAACTCCAAAACCCATTTTTTCCTGTT TGTAATTCATGATTTAGTTCCATCTTGGGTCTCTTAGAAGTCCTCAGTTCCTAGAGGGCT TGAGATTTTTTTATAGGTATCAAAATTCTCCCCATATAAAGAGCTTTCCTCTTTCTACCT ATCCAAAAAGCCTCATCCTTCAGAGAGAGAGGCCCATTTCAGATGGCACAAATTCATGG ACAGAGAAATAGTATTGGGGGGGGCTTTCATAGAGTTATAGGGGCTAAAGTTAGACCAAA ATAGTAAATACTGACTCTCATCTAGTAGAGAAGCTAGGATGGCTGTTCAATAGGGAGTAA **AAGAAACGTAGAAGAAAATGTGTTGCATATATCGAATGTCAGCACTTTATGTAAGGGTAT** TCTACCTGTTTGTCTATTGAATACATTTATTTTTTTGAACAGTGAGTTTACATAAAGTAA ATATGTACATATAAAGTTGAATTTGAATGAAACCAAAACCTCAATATTACAAATATAGAA GCATTGTACCTACTAAGTTTTAAAAAAAAATTAATAATAGCATCCTATGTTGTTAGAAGA GCAATTGTTAATTGGTGGTGGTGTGGTAAACTGGCACACATCTTTTAAAATATAATAAGA CTCACACAAAACGTCACATGCTTTGACTCATAATAACATTTCTAACAATTCATCCCTGGG TGCGAAAACAGAAAACTGGAACTAGTACTGGAACATTTACTAACCTAAATGTTCAATAAG TAGAACTCATTTAATAAATGACACTCTTCAAAATTTACAAAATAATATTCAACCATTAAA AAATGAGCATGTAAAATTGGCTGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGG GAGGCGAGTCGGGTGGATCACTTGAGGCCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGACAACATGGC AAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCAGGCATGGTGGCGCAGGCCTATAA TCCCAGCTACTTGGGTGGCTGAGGCATGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGAGGTTGCAAT TAAAATTATACACTAAAAACATAGAATACGTTCAAGGCCACCCCTAAGTGGAAAAAAAGC CACAGAATACACAGAAATCTAAACAGTAATTTGGGTGATGAGACTGGCAATTCTTTTTGG TCTTTCTGCTTTTATAGGTCTTCGTTATTTCTACAGTAAGCACATGACTATTAGGATAAA AAAAATCTTGGCCTGGTGTGGTGCTGTAATCCTAGCACCTTGGGAAGATTGTTTGAGACC GGGAGTTCAAGAGCCCCTGGGCAACATATCGAGACCCTGTGTCTACAAAAAAATGAAAAT TAGCCAGGTGTATTGGTACATGCCTGTAGTCCTAGCTACTTGGGAGGCTGAGGTGAAAGG AACACTTGAGCTCAGAAGGTTGATGCTGCAGTGAGCCGTGATCGCACCACTGCACTCCAG CCTGGATGAAAGTGAGACCCTGTCTCAAAAAAAAAATTGTGGTGATTCACACCTGTAAT CACAGCACTTTGGGAAGCCGAAGCGGGAGGGTCCTTTGAGGCCAAGAGTTCAAGGCCAGC CTGGGCAGTATAATGAGACCCTGTCTCTACAAAAAATTTTTAAAAGTAAAGAAATTTTAA TAGAAGAGGAAATAATGTTATGCCCTACTTCATATGACCAAAAACTGGAAGATAGTGTCT TTTTTTTCAGTTTTCTTCTCATTACATTTCAATTTAGTCTTTGTATATAGATTTTGGTT TATTGGAGAATATATAATGTGCTCTATTAATGTTTAAGTCATAAAAATATAAATTTCAAG TTTTTGTTTTGATAAACATATATTTGTTGGCAACTAGCACATGATTTTAAAAGTATAGTG GAACTATACATTTATGTCTTAAAATTAAAACTATAAAGTTATGTGACTGGGAAAGGAAAA ATAATTCATTCAGGATTATCTGACATCTTAGTATTATAGTAGTGTTAATACTAGCATATA

TTCATTGTAGAATCAAACTCTTCATCATCAACTAGAAGTGCAGTTGACATGGGTAÁGCAA AAACTGAATTTTTTATCTTAATAGTGGACTTTAAATTAGTATAGGTGTATTAGTTATAAC TTGTGCTTAGGTCCAGGTAAAAAGAAAATGAGTTGATTCCAATTTTACCTTTTAAAGTTC TAGCTTAGTTTCTTAAGGCTTCTGTAAAATCATACTGACTTATGTAGGGTCATATTTTGA TATGCAAGAGGAATGTAAAAGGTGTAATGTACTTAAATGTTCACTATCCGTTTGGAGATA GAAGTTCTTATTCTTAGCCCTTTTAGTACTAGAGGTGAAATATCAAAACCAAACAACGGC AAAAAAAAAAAATCCAAAAAAAATCCAAGTATATCTGTTTTTTAGCACTTAGGTTATTGT GATATTAAAGTTATTCAATACTTAAATAAAAAATTATTCCAGTATTTACATATATTGAAA TAAATTATTTTTATAGAATTAAGAAATTATCTACCTCTATAAATATGGATTAAGACCAAA CATTCAGTTTTTCAGTGTCTCAAGCTTATTCTTTGCTGTGACTACTAGTTACAGAATATT AGGTCATAATTCTTGTGATCATCCATATGCGATAGTAGTGGGCAAGTAGAACTGGAGAAG **AAAATTTTATGAAGATAAGGGAGCTACTAAAAAACTTCTGGGACCTAGGAAACAAGAAGAA** ATTTTGTTCCCTAGAAAGAGGAGCATGTAGTAGTAGCTGCAAGCTGCCTAGGAATAAGGC AGGTCAGAGAAACCCACTTGTCTGCCACACAGAGCAAGTAGGTAAATGGGCACTTACACA TTTTTGAAAGATAGAAATGTTCTAAATGAAAAGTAAACTATGAAATAATCTGTTATTTTG AAAACAAGTGAAGAATATGGACAGAATTCAGTGGGATACTTTGAAAACATTAGAAATATT CCTTGGAGTTGCACAGCTGGATTCTGTGATCATTGCTTCACCTCCTATTGAAGATGGAGT TAATCTTTCCTTGGAGCATTTACAGCCTTACTGGGAGGAATTAGAAAACTTAGTTCAGAG CAAAAAGATTGTTGCCATAGGTACCTCTGATCTAGACAAAACACAGTTGGAACAGCTGTA TCAGTGGGCACAGGTGAGGGATGGCAGGATCATGAGCACTCCAGGAAGAACTTGCCCTTT TCAGTCTTTGCTGCACACTGTTGAGCATCATGCACATAGTGGCCACCCCTGCGGGGTGAC TTTTCCACATGTGGGAGTTTTGTTTTGTTTCTGCAGGAGTTTTGAGGCAGGTTTTATCTA AATCATTTGAGGTTTTTGTTTGTTTTATTTAAATATATCTCTGATTGAACTGAATGTTA ATCCTGGTTAAAATGAGTGACAAAAATACTAGAAGATGTGTGTTAAAACATTTATACCAA ATGAATTAAGGCCATTTCCTTCAGTTCTACTTATGTGCTGAAAACAATAATACCTAAAGA AAAACCTTACGGCCGGGTGTGGTGGCTCACATCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGA GGCGAGCAGATCATGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGTGAAACCCTG TCTCTACTAAAAATAAAAAATTAGCCAGGCATGGTGGCGTGCACCTGTAATCCCAGCTA CTCAGGAGGGTGAGGCAGGAGATCACTTGAACCTCAGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCTG AAAAAAGAAAGAAAACCTTCTTTTTCTTTAGGTACTATTAGACCATGGCTCTAATTTC CTAAGTAAGGGAATATTTTATATATAACAGATATTTTGCTGTTATTCAAAGATGTGTAAG TGGTCTAATAACCTACAAAATTATTAGGAAAGTCACTTACTAGCGTTTTACCTTTACTCT CAGTATTTCTTTATTCCTTTTACTTCTTCAGCCTTCTCCTTTTTCAGAGCTTTCAGAG TTTCTTATGGACAGGAAGACCTAGAGAAAGTATTTCCCCTTCTCCTTGATGATAGCCAGA ATGAGGACAAGAAAGTATTGGAGAGACTTAGATGATTCAGAATGTAAATTAACCAGTGTA GCTACTGGAAGCTGTCAATTCTTCTCTTTCAAAATGTGTCTGATTCATAGCCATATTTTA TACTTTAACATTAAAGGTATTTACTTGTATTTGATCCTTTACCTTTAAGAACTATTTGCT CTGTAGCTGAAACCATCACACTTAACAAACTAACAAAAATCATGTTTGTGTTCTAGGCAG ATGTATTAGATTGTTAAATGGTTCTAGCAGGAGACTTTTTAATAGTGTAGTACCAGGCTG GGCATGGTGGCTCATGCCTGTAAGCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTAGATCACC TGAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAACATGGTGAAAACCGCGTCTCTACTAAAAA TACAAAAATTAGCTGGGCATGGTGGCAGGCACCTGTAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTG AGGCAGGAGAATTGCTTGCACCTGGTATGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCACGCCAC GTAGTACTGTTGGCTTTTCGTTCCCCTAGTGTTACACTTCCTTTCCCTATTACATAGGG AAAAGGTAATAGGGAATTCCTATTCCCTATTACTACTAACCTGGGTTAGAAAAGCATATA TTAATAAGATATTAATGTAAAAGTATTTTGTAAACTTTAATCACTGTGGATTGTGATTT TTCATATGTTCTAAAATTAAGTTATTTTATTGCTTATTGCTTTCTACTTTTTGGTATTATA TTTAATTTAGTAGTGATATCATGATTTTATTTTCACTTCTAGGTAAAACCAAATAGTAAC CAAGTTAATCTTGCCTCCTGCTGTGTGATGCCACCAGATTTGACTGCATTTGCTAAACAA

11/36

TTTGACATACAGCTGTTGACTCACAATGATCCAAAAGGTAAAACTGATATTTTCATTATA GAGATTGATCATAAGCTTTTGTCTTACAAAAAGGTATTTGTTGATACATAATTTTAAATG TGGACAGTGATAAAAATACAGTGTTATCTGAACTATTCTTAATGGTTAGTTCAAAACCTA AGGGATCATTTCCTGAACATCTGGTCTTTTGAGGTTCACAAATATTAAACTACAGAAA AGATCTTTTGAGACATTCTAAATAGTAATATATATATATCCTATCTAGTATAGCAAAGACT GGACCAAAAGGCCACTTGATTTTTTTAGTTTTGAGATGGAGTCTTGTTCTGTCGCCCAGG CTGGAGTGCAGTAGCATGATCTCAACCTGACTGCAGTCTCCACCTCCCGGACTCAAGCTC TCCTCCTGCCTCAGCCTTCCGAGTAGCTGGGACTACAGGCGCATACCACCACACTTAGCT AATTTTTCTATTTTTGCAGAGACAGGGTTTCACCATGTCACCCAGGCTGGGCTTGAATT TCTGGACTCAAGCAATTCCCCCACCTCGGCCTCCCAAGGTGCTGGGATTTTAGGCATGAG CCACTGTGCCTGGACAAAAGGCTACTTTATTCAAGGAGATAAATATCTGGAAAAAGTGGC ACATGTAATTTAATTCAAAACTTAATAAGCATCTTAGGATAGGTAAGTAGGTATTTTATT AAGACGTTTAGTGTTAATCAGAAATATTTGATTAATGAGAATGGCTTGTCTGCCTTTTAT AGAATAATTTTTTACAACATTTTGTAAGATAACTAGAAAGACTTGGAAGATAATATTGAA CATAACTTGCAAAGATAAATGTTTCAGAGAGCCTGTATATTATTAAGTAATGTATATTAC TACATATTTTTGGTATAAATGAGAAATGTTTGGTTATAAGTGAGAAATGTCTTGTGAAAG TTTTAATTCTCGATGACATTTTTATAGAAGTTCTGATTTAATAATATATTAGAGGAAATTA TATTTCATAGATAATTCCCGCCGAAAAAATATTCAGCTTTTATTTCCATACCTAAAAAGA TGACACAATATCAGTGGGTTGATTCAGTTTGCTCATTTTAAGAATGCTATGGATAATCTA TTAAGACTTTATACTATTTATTAGCAGTCTACTTCATTCTCATTTCTTCACTGTTTCATC AGAGGAGGGGGAGATGGAGGAGAAAGAGTTTTAATAGTTATTTTTCCTTGAATGCCAAGC ATCATGCCAAATGCCTCAGAGAGATTATCTATAATCCTCACAACAACGGAAACTATACAT TTTTTTTGTCAGGAAATAGAGCCTCAGAGTGAAAGGAACTAGCCAAGGTCACCCAGCTGG CTTTGGGCAAAGTTTGAACTTGGCCTAAGTCTTGGATTATTTTGGAGCCTTTTCCACTAT ACAATCTCTTTGATTTGAAACATTAGTATTACAGTATTACAGTCTGAAAACTTCATCCAT TTTCATTTAAATCATACCAGAATAAAATACAGTGACTTTTGCCTTCCCAGTAGAGCTTTC ACAATCAAGTAAATTGATTTTTTAAGCCATTTTAGTGAAAATCTAACAAATTGTTATGCT GATTTATTCTGAACTATAAGTCATTTAAATTTTAACTTTCCATATGTTGGCAGATGTCAT GTGTCTGTTTACTTTTTGGAGGCTCTTCTAACAGTAATTGTTACCAACAGCTGATGATCC AGCCTGTACCCTCTTCTAGCTTCACTTGAAAAAAACTCAATCCTTTTACTAGTAGGAAAG GAAGTAGGAAAAGATTAAGGTTCCTAGTGTTTTATTTTCACATATCTAAATGTTGACATT TAGAATGTGTGCTAATACATTATTGTTATGGCAAAATATATTGCATATGTATATGAGGAG AGAGATTTAATCCTTTTTTTATATTTTTTTTTTTACATAATTTGATACTTAGTTGTCTTTT TTAATTCTAAGACTTTTGGTGAAAATGTATAGGCTTATCCTGCATTTATCATTAATGAAC CTTCAGACACTTTAATCTATAATGAAGCAACTCTCGATTTAATTTGTCATGTTTACTGAC TAAAGAGTTCAACCATAATTAAATTTTAAAAGCAGTTAAATGAATAGCATAGTCTCTGAT TTTGTGTCATATTTTTTATTTTTTAAGCAACCAAACTGAAAAAACTGTAAAACATTTAA CTCTGTAAAATTTAACTCTGTAAAACTGTAAAACATTTAACTCTGCTTGTCATCTAAAAT AGAATTTTGTTTATAAATTCCCTGAAGGTCTACCCCTGTTCTAAAAATTACCCTTACTCC CCATAATGGGTTTATTTTCCATTACCCTTTGTTCTAGAAGTGTAATAACAATTTAACTAG AGAGTAAAATTGTAAAGTAGATGATCCTGAATTTAGAACTTTCCATTTTTATTTGTTCCC CGCCCCCATTTCGATTAAATCCAATCTGTATTATGTCTCTTTCCCTCAGGGTCTTCTCT GTTAGAAAATCTGATAAACAAATCCATATTAATGTTACTTTTCCAAGGAGACATTTGTGT TCTATATATGAAAACTACCATTTACTAGTGGTGTGACCTTGGCCAACTTACCGAACCTCT ATTAACTGAGTTAATACATGTAAAGTACTCAGAAAAGTACCTCGCACATGAAAATAGCTA ACATTGATTGAGCGTTTACTGTTAATGCTATTCAGGTATCACAGCAGTTTGGGAGTAGGT GGGTCCTTTAGCACTCCGAAATCAAACTGTGAAGATGCTCACTTAATCCCTATCTGTAGG CACCATTTGCCAGCCATTGTTCTGGGTACTAGAGATAAAGGATCAAGTCAGACAAAAACC TGATAAGTGGTAGTATATGCTATGGAGATAACTTGGCTGAAGGAGAAAGAGTATCCAAGT TAATTGTTGTTTTATATGGTACAGTCAGAGAGGCCTCTCTACTAAGGGAATGTTAATCAG

12/36

AGACCTGCAGGAAGGGAGTGAGCCATGTGAATATCTGGAAAAAGTGTGTTCAAGGAAAAG GCAGAAGCTAATTCAGAGGCTCCAAGGTGTGAATGTGCTTGAGGTTTTCAGGATACAGCA AGGAGGTGAGGCCAGTGTGGCCAGAGGAGTGAGGCAGTGAGGAGAGGAGTGGGGATAT GGCATCAGAGCAGTCATAGAGAGCTTGGATATAAACTTGGAATTTGCTGGGCATGGTGGC TCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCAGGGGATCACTTGAGTCCAGGAG TTTGAGACCAGCCTAAGCAACATAGTAAGACCTCATATCTACAAAAATAATAATAATAAT AATTAAATTAGCTGGCCTTGGTGACGCACACCTCTAGTCCTAGCTACTCAGGAGAATGAG GTGGAAGGATGCATTGAGCCCAGAAGTTTGAGGCTGCAGTGAGCTGTGATCATGCCACTG AAAAAGAATTGGCACTGCGGCACTCTCAAATTATCAACTGCTGGTAGAAGTGTAAAGTA TAGCCTTTCTGTAAAGCAGTTGGCAATATAGCGTGTATCTAGCTTTAAGAATGTACTTGT ACTTTGGCCCTTCATTCCACAGCCAGGCATGCATTTTAAAATGTTCATCATCTGCATCAT AGACATAGTTGATAATGAAAATTTATTTAAATGGTCTTGCAATGATTTAAGTATTCAAAT GCTTAAAGAAAGCATTGCTGGTACAAATATTTCTATTTTTAGAAAGGGTTTTTATGGATC AATGCCCCAAGTGTCATCAGAGCCATTGGTGTTTTCATTTTTAAAATGTCACCTGTAAAA TGGGCATTATTTATGTGTATATGGCTTTTTTTGGCATTCCTGATAAATGTATTATATAAA GTCTATACATTGGATAATAACACTAGTATATTTAAACTTACAGACTTATTTGTAATGCAA TACCATCACAACTTTTTGTGTGTGTAATAAACCGCTTTTGGTTTGAAAATATTTTTCG ATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGTGAAACCCCCATCTCTAC TAAAATATAAAATTAGCCAGGCATGGTGGTGCATGCCTGTAATCCCAGTTACTTGGGAGG CTGAGGCAGAAGAATTGCTTGAACCCGGGAGGTGGAGGTTGCAGTGGGCCCAAGATCACAC TATATTTTTTAAAAAAAGAATGTTTATCCTGGCATTATTCTTATTAGCAAAATATTAGGA AAAACATAAATGTTTTGACCAATAATAAGGAAATATATGAATTATGATATCTATGTAATA TAGTAATGGGGAAATTATTAAAAATGATCTTTTCACAGACTATTACATGGGAAAATATTC ACAATATAAGTGGAAAÂAGATAAGCAAATAAGGCTTTAACTACAGTGTGATTTCTAATTT TGTAAGATATGGATATACACACACACACATACAGATATAAGATCTAGAGATATATAGAGATT CAAGATATGGATGAAGATATATATATATATATGAAGATATATACTCATATACACCAAAAA AGTTGTAAGGAAATGCATGACAATGTTATATCATCTCCAATTGATAGGATTATCAGTTAC TTTTTTTTTTTTAGACTTTCCTGTATTTTCCCTGACTATACATTAGAATCACCTGGAGA TCTTTAAAAAACTGCAGATGTCTAGGCTCCACTCACCAAAAGTTAAGAATTAAATAGGCT GGGGTACAGGTGTAGATACTTTTTAAATAACTGCCTGGGAATTTCTAATATTCTGGTTCA TTGTTATGTTAAATGCTTACCTACATACTAAAGTGCTTTTTTTGTTTTCCAATTTAACACG $\tt CTGGAGTTTGTTGTTGTTTTTTTTAGAACTGCTTTCTGAAGCAAGTTTCCAAGAA$ GCTCTTCAGGAAAGCATTCCTGACATTCAAGCGCACGAGTGGGTGCCGCTGTGGCTACTG CGGTATTCGGTCATTGTGAAAAGTAGAGGAATTATCAAATCAAAAGGCTACATTTTACAA GCTAAAAGAAGGGGTTCTTAACTGACTTAGGAGCATAACTTACCTGTAATTTCCTTCAAT ATGAGAGAAAATTGAGATGTGTAAAAATCTAGTTACTGCCTGTAAATGGTGTCATTGAGG GCCTCCATATCAATCCATTCTCATGAACCTCTGTATTGCTTTCCTTAAACTATTGTTTTC TAATTGAAATTGTCTATAAAGAAAATACTTGCAATATATTTTTCCTTTATTTTTATGACT AATATAAATCAAGAAAATTTGTTGTTAGATATATTTTGGCCTAGGTATCAGGGTAATGTA TATACATATTTTTTATTTCCAAAAAAATTCATTAATTGCTTCTTAACTCTTATTATAAC CAAGCAATTTAATTACAATTGTTAAAACTGAAATACTGGAAGAAGATATTTTTCCTGTCA ${ t TAGCTGTAATAATTTAACCTTGTATTCTTGTGCCATATTCTGTCTTTTTTATTACTTATAA$ AGACAAACCAAAGTAAATCTGAAAGGAGACTAGAAGCTTTGAAATTATTGTTTGGGGGGTT GTATATATTGCTACTCATTCAAGAATCCTCAATAAGTATTGAGTATTTACCATATGTTGG

13 / 36

GATACTGTGGGCTCTGGAGAGAGGGGGGGCAATAGAGCTAGGAATTAAGAATCAGTTGA AGGGGATGAAAAAAAATCCTTAATTCAGGGCCGACATTATCTACTTAAACAACTTTGAG ATATGGTCTTAATTATTTTAAAGCAGAATAATATAATTGAAAGTTTATAGCTAAAAGAGA CTATATAGGTCATTTAGTATAATTCTTCATTAGTTTACGAACCACAAAATTGCAAATAAA TAAGCTATGAACTTTGATGTACACTATAAATCTCCTTAATTCTATAAATTTGTGTCTGTA ACCTGAATAGTTTGAAAACTTCTTTAAAAATCTCTTGTATTTCATCCGGGCGCCAGTGGCT CACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGATCACGAGGTCAGGAGTT TGAGACCAGCCTGACCAACATGGTAAAACCCCATCTCTACTAAAATACAAAAATTGGCTG GGCGTGGTGGCACTCGCCTGTAATCTCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCT TGAACCCGGGAGGCGGAGGTTACAGTGAGCCGAGATCACATCACTGCACTCCAGCCTGGG CGACAGAGCGAGACTCCATCTCAAAAAAAAAAAAAACTCTTGTATCTCAATATTTTTAA ACCACAGGCCTAAATAAAACTAATTTTGCTCAAGTTTTCTCAACCTAGGGAAAAAGAACT ATGGTTCCATATTCAAAATAATATTATAGACCCTTTTCCTAAGTAGGATTTTGTGGTTT ACTGATTGGGTAATTTGATCATTAAAATTATGTGAAATCTGCCCGGGCACACCTCATGCC TGTAATCCCAGCA

Figure 7: Nucleic acid sequence of GSS: NT_028392, position 1352038-1381802 (SEQ ID No: 19)

CACAGCAGCCTCCGTCTCCGGGGCTCAAGAATTCTCACGCCGCAGCCTCCCGAGTAGCTG GGATTACAGGCACGGCCAACACACCCGGCTAATTCTTGTATTTCTAGTAGAAGACGGGGT TTCGCCATGTTGCCCAGCCTGGTCTCCAACTCCTGAGCTCAAGTAATCCACCTGCCTCGG TTGTTCCTGCAATTTGGAACACTGTCCCCATCCCAGCCTCTCACCTCTACCCCTACCTCC TTCACTACCTATACCTTCCTATCCATCCTTCAAGACCCCAAAAACCATCCCTGATTCCTT GGTTAATTCCCTAGAAGCTGGACTGATACATTCCATTTAACTAAAATTCGTATCAGGTGC TTCGGACTGCAGACAAGCCTATCACAACCCAGAAGGAAGAAACAGGGAAGGCACCTGGGG GCTGCCAAGCAATGAGGTGGGGGGTAGGAATCATGAATCCGCATATTTTTAAAAACTGCC CCAGATCCTGATGTAAACGGTACAAGAGAGTCTGAGAAACACAGGGCTCCCCTCAAACAG TCCTGACTTCAGCATTCCTGGAAAAATGAAAATCCTTTCCTTTTGCCTCTAATGCTTTCC CTGCTGGTATCCCAGGTTAAAAAAAAAATAGATAAAATCAGGGGGATTTTTCTGGGACTTG GCTGGGCTGGGAAACAAGCCTGGGTTCTAATACAGGCTCAGCCCCTGACGTACTATGGGC CCCTGCCCCTCCTTGGGGCCTCCATTACCACGCCACCCCCACCCTTATCAATTGTGTGC CCCTGAGGTAGTGACTGTCCCGCTCTGAGCATTAGTTTCCCCATCTTCCACTAGTCGTCG TCAGCTCTGACGCTCTATGAGCTATGCATACCCGTAGCTCCCCGCCGACCCCGATGGTCC CCTCCCTCCTTCCCAAGGTCCATCCGCCAGGGTGCAGCCGACGCACTCCTAATGCTAAG GCCGCCTCTCATCGACCGCCCCTTCCTGGCCTCGACTCAGCGCCAAAGGTATGGGTCTC TGCCCCGCTGCTCTTTAAGCCTAGCCGGGGCGGTCAGCGCAAGCGCACTGGGTCGCATC GAGGCCCCCCCTGAGCCTGGGTAGCGGCGCGAGGGCCGGGAGAACCGTTCGCGGAGG AGGAACGATGTGAGGGAGGGTCTGGCAAGAGATTGGAATTCCGGAGGCCGGGAGACCTT GTGGCTGAAACCCTTCGTAGGAGCGGGGCAACTAGTGTCTAGTGAGGGGGTTGGGCTGGC GCGCACTGATCCCAGACTTTCCGGATCTTCTGCCTTTAGATCGGGCCGGTGTCGGGGCAT GTAGGCCAGTGAGACTGGAGCCAGTTAGAGCTACAACGGGGAGCGATTAGGGCCAAACTT TGTCCAGGGTGGAAGCGAGCGGGCCCGTGAAGTGGGGCCAGCCTGGGCAGCCGACCGTGT CGTTGCCTCGGGGCCTTTCCAGGCACTGGCCTAAGTCCTGGCGATAAAGTGCGACCGATT ATTCATGTGATGAATGAATACAGTACTAAGCGCGGCTAATTACTAGGTAGAGAAGTGATC AAGACAAACACTGTTCCTACGGTACAGGGAAAAGTGATGGGCTGTAGAATGTAGAAGCCC GGGGCGGAGAACAGGGACAGCTTCCGGAACGAAATCGCGAGCCCAGATCAGGAGTGGTGG CGAGAGTTCCAAAGAGAAGACAGCACGTGCCAAGTCCTGGAAGGGGGACAGAGGCCAACA TATCCTGGTCACTGAAGACACCTGACTCTGAATCTGTTTCACGCCCAGGGAAGAGATGAC TATATACTTAGGCAGCAAAATCCATAGGATTTGGGGAGAGTGAGATGTAGGAAACAAGTA CTCAAGGCTTGGGTACCTGGGTGGGGTTCATCAGAGAAGAAGCAGATTTGTGGGAGACAA CAACAAATTCTATTCTGGTTGTATGGAGACTCGCAGGAAAAAATTGGATATTCTAGTTTG <u>AAGGTAGGAAAGTATTGCTGTGAAGATGTAGATTTGAATGTCATCAGCAAAACATAAATA</u> AAGCCAAGGGAGGGTTGAGGCTGTAGAATGAGAAAAACAAAGGGCCCACTTAGCACCTTC CTTGTTGCCCAGGCTGGAGTGCAATGGCACGATCTCGGCTCACTACAACCTCCACCTCCT GGGTTCAAGCTATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTCGGATTACAGGCATGCGCCA CCAGGCCCGGCTAATTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCTCCATGTTGGTGAGGCT GGTCTCGAACTCCCGACCTCGGGTGATCCGCCTCGGCCTCACAAAGTGCTGGGATT ACACGAGTGAGCCACCACCTGGCCCATGGTGATTATCTTTATGTCTTATCCTCCTCCA TATCCCCAGTACCTAGTCAAGGGAGTGGCATTAAATGCAAATCAGTGTTTGCCAACTAAA TAAAAGCCCAACAGCAAACAGATGTTGGAATTTCAGAGTTGTGGAACGATGGGGGCTCAT GGAGGGTTTCATTACTCTAATGTCAAGGTAATGGGTTCTTGTCCTGGCTCTGCCACTAGG

CTTCTGTGTGACCTCTGACAAGTCTCCTCCTACCTATAAAGAGAGTACAGCCAAAAAATG GTCTCATGTATAGAGCTTCAAACACTGCTGATAAATTTCACACTGATTTTTCTCTTTTTAA TCCACACAGCAATCTTACTTGAAAGGGAAGTCGGCTGGGCGGGGTGGCTCACGCCTGTAA TCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGAGTGGGGGATCACGAGATCGAGACCATCCTGGCTAAC ACGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCGGGCATGGTGGCAGGTGC CTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCATGAACCCAGGAGGCGGA GCTTGCAGTGAGCCGAGATCGTGCGGCTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCCAGACTCC TATCAGGACCCTCTTGAGATCACATGCGCATTCTTTCAAAGCATTGTGCTGAGGCTGGCA GACTTTCATAATTGGCCTGGCACTGGCTCTGTCATGGGGACAGGGGGACAGAGCTGAATG TGATGGAGGTTTCCTATTATTCTCTAACTCCCTTCCTGGGGACCACTGAGTTGGGCAACC ATGTTCTGTTAAATGGCAACAGGGCAGAACAAAATTAGTGACTGTGTTTCCAGATTTTTA TACACCTCTGTATGTCTCTGGGCAACCAATCAGACAACTTCTCCTATTACATTGGACACT TGGGTTTCAGCAATTTCCATCTTGCTAATGTGATTTCTCAAAAATATTTTCTGTCTTTTG GTGCTTTGATGATAAATGTCCATATATGGAATGTAGTCATTTCCTGCTACTAAGATTCCT TCTGGTTTGTATAAGGGAGGAGTTCACCTTATTCGCATTTCATGGTATTCCACAAAGAGC TCCCTCCCCTTCCCATGTAATTTATTTGAGATCTGCTGACATGAGTTGTTGGAGCTTGA AGGGAATTAATAATGTACTGCAGTGACTCCTATCCCAGGAAAACTTGTTAAAAATACAAA GCCTCGGCTGGGTGTGATGGCTCACGCCTGTAATCCCAGTACTTTGGGAGGTCGAGGCGT GTGGATCACAAGGTCAGAAGATCAAGATCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCCCGTCTCT ACTAAAATACAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGTGTGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAG GGAGGCTGAGGCGGAGAATTACTTGAACCCAGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGAT ACAAAGCCTCAACCCCTCCTTCCCATCAGGCCTCTTGCATCAGAGTCTCTGGGATGGGGC CCAGGAATCTGTATTCTTTCCCAGCTCCCCAGAATGTTCAGCCAGGTTTGGAAACTGATC GCCCCAGTCACATCTGATATTAGTGCTTCTTTCTCCAATGAAGAGCCTTTAGGCTGGGAG TCCAGAGACATGGGTTCAAGTCCAGGCTATACCAGTCATCACCTCGGGCAAGTCATTTCA CCTCTCCAAGCCTCTGCTTCCTTACTGTGAGAATAATGCCATTGTGTTGGGAATCAAAAG AGAGAGTGGCAATGGAAATGCTTTGTCAAGCTTTCTATTTTGTGCACATGGAAGTTGTTA AGAGCTAGAACCAGCCAGTGTTCACTCCTGTATACCACGCTGTTCCCTTCCAACAGAGGT CAGGGTCCTGCTGTTGGGGGTGGCCGCCAGCCAGTTTCGGTGGTTGCTGGGCTTCAGG CCATCTGTTACCAACTCTCTCTCTCCATCTTTTGCAGGTGTTGGGATGGCCACCAACTG GGGGAGCCTCTTGCAGGATAAACAGCAGCTAGAGGAGCTGGCACGGCAGGCCGTGGACCG GGCCTGGCTGAGGGAGTATTGCTGAGGACCTCACAGGAGCCCACTTCCTCGGAGGTAAG CCCCTAGCTCCTCCCCACAGCATTCACCATGGCCCACTGTCTGGCCCCGGCCAGGCTGAG GGTCACTCCTTTGCATCAGGGACCATATCTCTTTTTGCCTTATTTTTTCCAGTAACTAAAA TTGATCTCTAGAAGTAGAAAATAAAAAGGCAGTGTCCTGGAGTAATCAAATTTAAATATG GGGTTTGAAGTGTGACTTAGGCAAATTACTTAACCGCTCTCAGCTGCAGTTTCTTCAGGT GTAAAAATGGGATAATAATAGGACCTACCTCACTGGTTTGGTAAGAGAATTACAGGATGA TTCATGTGAAGCACTTTGCCCAGTGAGCTATTACTGAAAACCCCATAATCACTCTACCTT ATGATATGTTTTTGGTTTTTATTTGTCTGTCTTAGAACTTTCTAATGCCTTCTATTAGG GTCATCTTCATTCTGAGGCATAGTATTCCAGATGTGGGTGTATCACAGTTTAGCTTCCCT CTACTCATGTCTATTTAGGTGATTTCTCATTATTTTATGACCATAAATAGCATTATAGGG AACATCCATGCATATGTCTGTTGGGGCACCTATGTGAGTGTTTCTCCAGGTTCAATACGT AAAAGTAGAACTGCTGAGTCCAAACCACACCTTTTTAAAACCTCATCCTTAGGGAAGAAA AAAAATAAAAAATAAAATCTTTTTTAATTTGGTGACTAGGTAAGACATTTTCATGGTT CAAATTCAAATGGTACAAGAGTTTACCCTAATGCAGCTTGTGTTTTTGGTTTCTTGTTGAT

CCTTTCAGATGGCTTATTCATAACAAGTAACTAATAACAAGTAAATATATTCCTTGGGGC $\mathtt{CTCGCTCTGTTGCCCAGGCTGGAGTGTAGTGGCACAATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGC}$ CTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCCACCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCATG TGCCACTACGCCTGGCTAATTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGGGACAGGGTTTCACCATGTT GTCCAGGCTGGTCTCAAACTCCTGACTTCAAGTGATCCACTGGCCTCTGCCCCCAAAAT TAACTTAACAGTACACCTTAAGACCATATTGGTGACTAAAGAGCTGCCAACATCTCTTCT TTTTTTAGCCAGACCCATTCTTTTTTGTCTCTGTGTGCCCAGAACCTACACAGGCCTGAT AGGCAGGCTGATGGTATGGAATAGAATTGCTTGGGCTGTGAACCTAGATTTTGTGAATTA CTTGTATGAATCTAAAATGAAGCATTTTCTCTTCCACGCTTTTGTTTCTTCTGTTAATCA ATAGGTACCATGTGAAGATCCAACACTTGGTCTTTCTGGGAGGTTATGGAGCCTAGAAAA TTTACCAAATGCCTGCTCTATGCCGGGCCATTGTAGGCACTGAGGACAGAGAGGTGAGTC AGCCAGAGCCCTAGCCTCTGGGGCTCCTGGTCTAGTTAGAGAACATACCACAAAACAAAA TTAAATAACATCAGCTCTATGAGGAAACACAGGCAGTCTGCTACAAAAGTTAACTATCA TTTATTGAGTATTTAGTATGTGCCAGGCATTATTCTAAACACTTTGGAATCACTGACTCC ATTTAAATGGTAAAATAATTGGCAGAGCCAGGATGTGAACCCAAGGAATTTGGCTCCTGA GTCCATGCTCTGAACATCCATGCTTTTTTTCCTCTCCCAAGATACTATATAGGACAGCTG GAAGAAAGAGTAGTTCATTATGATTAGATGATTGAGATGGGGGGTGGTATTTGAACTAGA CCTTAAAAGACAAATAGGGAAAAGGAACAGCATAGCAAGGACCCAAAAGTAGGAAAAGGC AAAAAAAAAAAATGTTCAAGAGAATGCAGCTGAAATGCAGGGCGCATAAGTGGATAT AGTGGGAAAGAAGGCAGGCCAGCGTCAGACAGCCGCGGGGCCTTAGCTACTGGGTGGAGG AGGAGTATGAACTTTATCCTGTAGATCAGAGCTGCAAACTAGCCATATCTAGGCTGAGTA TTTGGCTCCTGCAGTGTTTGGGGAGTTAATTTGTTTTTTACAATAAGTAATACGTTCAAA TACATTTGAACAGGGCGCAAAATTCAAAAGGGTATTCAGTACAGAGTAAGTCCCCTTCCT CCAGCCACTGTTTCCCTGACCAGGGGCAAGCATTGTTAACAGTTGTTTCACCAGAGTAT TTTTAAAAAGTCAGAGCCAACATTTAAAAÁAAAAAATCATGAAATTAAAACAAAAAATCT AGCAACCCAACTTGTCTTGAAAAATTATATCATCTGGCAACTCTGGCCTACTTTCCTGCA TGGCAACAATTGGCTAGAGCAGAGTTCTGGCTGCCCCCTTTAGAGAAGATGCAAGTACTT CTTTTTGCCACAATTCCTATCACTCCCTGTTGCTTCCTGGCTACAAAGCAGAATTTTGTC CAGAGTCTCACTCTGTCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCACGATCTCAGCTCACTGCAACC TCTGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCAGAGCAGCTGGGACTACGG GTGTGTGCCACCACGCCCAGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATG TTGGCCAGGATGGTCTCGATCTCTTGATCTTGTGATCTGCCCGCCTCGGCCTCCCAAAGT GCTGGGATTACAGGCATGAGCCACCGTGCCCGGCCAGTAATGTCATTTTATGTTAATGTC TCTATCAAAAGTGAGAAGACTGTGTTTTCAGCCTTTAGCCTGTAGATAGCAGAGAACAG CTATAAACTATTGATCCTAAATTCAGGAGGGCATAATGAGCCCTGGGACAGAGGCAGAGG GATGTCTTAGCAGAAAAACTCTGAGTTTTTGAGGCCAAGATGAGACTTGTTGGGGGCAGC AGAGCTCTATGTGTTCAAGCCAAGGAAATGCTCCTGTAGTCATCACATAGCTACTCAGGG TATTAGGTCACCCCTTATGTAATCTGCAGTCATTCCCCATTCTAACTCATAAAGGCTTCAG ACTGAATAAACCTTATTCTCACAAATAGCCTTCCTCAGTTTTATCTTAGATGCTGAGGCC AGGGCAGTGGTACACCCTGCAGTCTCAGCTACTGGGGAGGCTGAGACAGGAGGATTGCT TGAGCCCAGGAATTTGAGGCTATAGTGCACTATGATGGCACCTATGAATAGCCACTGTAT GGGTAATTTAGAAATTATCTACCAAAATTTAAAATAGATTTACCTGAATTACTTGATATT TTTACTTTTAGAAATTTAGAATGTATGGACTTTCTCATATATGAAAATATCTAGAATGTA TATTCTAGGATACCCATTGAAACATTAATGGTAATAGGAAAATAAAGAAACCACCTATAT ACTAGATTCAATAAATTATGGTATATCCTAAGAGTAGAATAATATACAGCAATTAAAAAT AATGAAAATGCTCTATTTGAACATATAAGGAAATATTTAAAAAGCACAATGTAGTATAGT

17/36

TGACTGGAAGGATGTGTGAGACACTAGTCTGTCATTTGCCTCTGGGGAGGAGAACTGGGT GGCTGGGGCCCAGTCTTTTCCCCAGGAGACTGGAATGAGAGTGAGACATACTTCTCACTA TATATTCTTATGTCTCTTTTGAATTTTGTATCATGTATTTGTATTACCTGTTAAAAAAAT AATAATATTTTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCTG AGGCAGGCAGATCACTTGAGGCCAGGTGTTTGAGACCAGCCTGGACAACACAGTGAAACC CCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTACCTGGGTGTGGTGGCACACCCTGTAGTCTCAG CTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGATTGCTTGAACCCAGGAGATGGAGGTTGCAGTGAG CCGAGATTGTACCACTGCACTCCAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACTCTACCTCAAAAAAA AAAATAGTACTTTAAAAATAAATATCTAAATACCAAGTTCTAACACCGTAAACTTATACC ACCATAATGACAAACTGATATTAACTCAAAGGTTAAACTCAGGAATGCTTTATAATACAA GTCACAAGATTTTCTTTTCATCTCTTACCCAAGTTCTAGTTCAGTTGTTGGCAGGGATCT CAGAATGCACTTTTCCCTTCTAGAATCAGTGTCCTTGATGGTATTTGGGTTTCTCGTCTA TGATAAAGTCCAAAGAATGCGGAATGCAGCTGAACTCTAGGCCTGTTAACCTGAGTCACC ATCACTAACATTGGTGGAAAAAACACTCCTGGCTTCTACTAAGGGAACCAGAGTTCACTT GTCCTACCCAGTAACCAAATCAAAATCAAAAGGCAAGGAAACTGGAGTGTGAGCTCCTGA GTGTGTGTTTTAGTAACCATCCTGGTTCAAATCCCAGCACCCCGTTACTAGCTGAA TATAATTTTGGATCTGTTAACTGTTCTGGTTCAAATCCCAGCACCAGTTCCTAGCTGAAT ATAATTTTGGATCTGTTAACCTCTCTTTCTCAGGTCCCGTCTCTGTTAAGTGTGGATAAT AATAGTATCTTCCTCACAGGGCTGAATGATGAATCTATGTAAAGTATTTAAAATAGTACC TTGCACATAGTAAGTGCTCAATAACTTGTGGGTTTCTTTTTGTTATTTGCATTTTGCTTT TTTGCTTCTCTCTCTCAATACGTAGAGATAAACTATCACAGAATCTGGAAGCTCTCTGG GTTCCACTCTCCCCTTCCACTCTCCCAAGGTAACCACTAATCTACAGTTGGTGTGTCCT CAGTAAATATAGGCCAGACTTTCCATGGGATTCCATTTGCAGGAAGACAACCCGTTCACA GGTGCCCTACCCCTGTCCCATTCTCTCTTGATCACAGGTGGTGAGCTATGCCCCATT CACGCTCTTCCCCTCACTGGTCCCCAGTGCCCTGCTGGAGCAAGCCTATGCTGTGCAGAT GGACTTCAACCTGCTAGTGGATGCTGTCAGCCAGAACGCTGCCTTCCTGGAGCAAACTCT TTCCAGGTAGGGGACAGTGAAGCATTGGGGGGCCAGGAGCTGCCAGAGCCAAGGAACTGG AAGATTGCAGAGCCGTGAGGTGTTACTGTGTCAGCTGACTTGGTGGGGATAGAGGAAAGGT ACCTCCAAAGAACAAAAAGTCATAGGAGTCAGGAAAGCTGGCTTCTAATCCTGGCTCGAC CAGTTATTTATATGGCCTCAAGCCACTCCCTTTCCTTCTCTGGGCCTAAGGTTTCTTCAT CTGAAAAATGAAGAGACTGGCTTAAATCCAAGATCCCTTTATTGTTGACATTCTGTAATC CGTGACACCCTACTTTGAAGACTGATATTTCCATTTGGAATTAGGGGAAGTCAGCCTGGT TTTGGAGGAAAACAGAGGTAGGGAAGGTTATTGGGTTAAAGTCAGATTTTCTACTTCTCC TAAGCAGCGACACTTTCTTGTCACCTCAGGCCTCTCATCTTTGGATGGGATGGGGTACAG ACTGGGCCACACTCAGGGCATGAGGAAGCAACCTCTGAAATGGTTCAGCCCATCCGCCCT TCTCTGTCTCTTTCCCTTGATCTTTTTTTTTTTTTTCTTCAGATTCTGGGGCAATTTCTTA AAATTTCTTTATTTTAGAATTAAATATATATAGGCTGGGCGCGGTGGCTCAGGCCT GTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCACTTAAGGTCAGGAGTTTGAGA CCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATAAAAAATTAGCTGGG TGTGGTGGCGGGTGCCTATAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTG AACCCAGGAGGCAGAGGCTGCAGTAAGCCAAGATCACGACACTGTACTCCAGCCTGGGCG ATTCATTGTAGAATTAAATATCTAGAAATATTATGTATTTACATATACATGCTAGATGTG TATATACTGTACAGGTTGAGCATCCCTAATCCAAAAATCCAAAAGCTGAAATGCTCCAAA ATTCAAAACTTGTTGAACACCACATGACTCTACCAGTGGAAAACGCCACGCCTGATGTCA TATTGTATAAAATAATCTTCAGGCTATGAGTATAAGGTGTATATGAAACAAATGAATTTT GTGTTTAGACTTGAGTCCCATCCCCAAGATGTCTCATTACGTATATGCAAATCTTCCAAA ATCCGAAAGACTTCTGGTCCCAAGCATTTCGGATAAGGGATATCCAACCTGTAATTGCAT GTCTTTGATTAATTTTTCAACAGAAATTAGACTTTTGTTGGAGACAAAATCTTTTAAAAA TGTGTGGGTGAATATGAGAAGGGGTCATAATGGTAAGAAGCTTGGAAACCATTGACTTGT AGCCAAAAACCCAATGAGTCATGAATGTATGAATCTGCCCACCACCTTGCCCCTGAGCTG TTTCTTGGAATGGGCCCAGCTTTGTACCTGCAATCCTGGATTGTGGGAAACATGAGCAGC

CTGGCTTATAACCCTAATGATGCAATTATGAAGGAGACTTGCAGCTCATCTTTGCAACCC CTGCCTTCTCTCTCTCTCTCATACACATATAAACCCTAGTTCCTAAGGGAGAA GAGCCCCTACAAACATGAAGGGGAGCACCTCTTCAGAAAAAGGAAAGTGTGTCTCAAC TT CCTTGGAGGCTGAAGCCCAGCTGGGACTCTCCTCCTAACCAAGGGCTGGCATGAGAGA GCTCACCCTTGGGAGAGCTGGCTGAGGAGCAGAGCATTCAGGGCAGGCCTGGGCTA CAGGTGTGCAGAATCCACCCTGAATCTCAAAGGGCAGTAAGTGTGATGTTAATCACCTGT GGATTCCTTCTTACTGTGGCTCTTGTTGAGACTTCAGAAAACCATACTGGATAGGCCCCT AA CACATGTCACATGTCATGGCAGTACACTGAGCTGTGACGATGAGCCTGCATAGACACA GC CATTACCTTCATGAGGTTTATAGTCAAACAGGAGAGATGACACTAATCATCACACAAA GAAAATGTAAAATTGCAACTGCAGTCAGTGCTGTAAAGGAGTGGTTCTTAGTTCTATGAG AA CACATAGTAGGGGGATCTGACTCAGATAGGGAAGGCTTCCCTGAGGAAATCACATCAT ATGAGGACTAGTTGAAGAAGAACAAACAAACAAAAAAAACCCAGGATATTTAGCTTGGG TCAGAAAAATCTTATTGGTGCACAGGGCATAACTGCTGTCTTCTAATCTCCAAGGGCTGC TG TGGAGGAGGAGGAGAAGGCTCACCCTGGGAGGTCGCAGAGGGTAGGAAAAGCTATGGA GAGTTAGTATTAGGTCAACCAGAAGGCTTGCCAACCATCAGAGCTATTCAAGTAGAATAG ATACATCATGTCATTTTCTAGCTCTTCTTCGGTGCAGTATGTTCAATTCTTTGAATGTAA TATCTTATTGGCTTTTTACCACAACTCTATGATATAAATATAATTATTCTCCATTTTA AAGATCAGCAAACTGAGACACAGAGAGGTGAAATGATTCCCTGAGGTTGCCTACTAGTGA GTGGTAGAGCTAGGATTTGAACCCAGGTCTAGAGTTGGATTCTTAGCCACTGTTCTCTAC CA CATTGGGGCGACATTCAAGTTTTGGCCAGTAGACTCAGAGAGGATTCAGGAGTCAAT GACTGAGGATGGGACTCCTTGAAATTTTAGGTCCAATTAAGCCTGCAAAATGTTCTCTGT TT CTTCCTCCAGCACCATCAAACAGGATGACTTTACCGCTCGTCTCTTTGACATCCACAA GCAAGTCCTAAAAGAGGGCATTGCCCAGGTAACCATTCCCAGCCCTACTCCAGTCTGTAA ${\tt CCTGTCCCATCTCTGTTTGTTTTCTGTTTTGCTTGAAGAATTTGGTCCAGGCCCTC}$ AG CTCATGGGAATCTGCCTCTCACTGGTCCTCACTGGGTTTATCCCAGTGACCAATTCTA GGATGACCAGAAGAATGATTCCACTGGGCTTGGGAGTGTTTGCTGGTACCTCTAATCTCT AGGTACTGTCAGCCTTCAGTTTTCCCCACAGACTGTGTTCCTGGGCCTGAATCGCTCAGA CTACATGTTCCAGCGCAGCGCAGATGGCTCCCCAGCCCTGAAACAGATCGAAATCAACAC CATCTCTGCCAGCTTTGGGGGCCTGGCCTCCCGGACCCCAGCTGTGCACCGGTGGGTCCC CTGGGCAGCCCCGGCATACCTGTGGGGTGACATGCTGATGGGTGTACAGTCACTGGCTA GG CCAGGGAACTCCAGCTATGATTGTGCTTTCCTGGGCCCCGGGTCACATGTTGCCCCTG GC CACCCGACAGCAGTTTCCACTTGTAATGAGATCCTTGGTATGTCAGGGAGAAAAAGG AC CTCATAGCTCATCTAGTCCTGTCCCTCCATTGTACAGGCAGAGGGAACAATATCTTGA GAGCCCCAGAGAGAGGAATGCAGGGACTTCTGTCTGGGGGGCTGGGCCTGGTAGCATCCAT TTCTAGCCAGCAGTGATGCTCCAGGTTGCAATGATTTTAGATGGTCTGCAGCAGGATTCC AGACAGCACCTGGAGGCCCAGAGTAAGGGGCTCCAGCTCACTGGGACACTAGGGTAGGTT GGGGTGGGGACAGAGGCTCTCAGGTCTCCTCCAGGCATATACACCAGGGGCCAAGGTTAG GG CAGCCCAGCATATTCCAACCTGAAGTGGATCTTACAGGAATGTGATGGGAGGATGCTT TTTAGTGCTCAGCTGATTCTCAGAGTCATGTTGCTGTATATATGAGGTCATGGGCAGAGG GGTCTTCCAGGTCCATCCAATTACTGAACAGCCATCTCTCTTCCAACAGACATGTTCTCA GTGTCCTGAGTAAGACCAAAGAAGCTGGCAAGATCCTCTAATAATCCCAGCAAGGGAC TGGCCCTGGGAATTGCCAAAGCCTGGGAGCTCTACGGCTCACCCAAGTAAGGGTGTGAAA GC CAGCCATCATTAGAGAATAAGGGGATTTTTCTAGGAATAGAAACTTATACCTTTACAT GCCAAAATTATTTTAAGGTTTCCTTCTTAAATAACAGATGCTGACTATGATTTAACTTTT TCTTATTGAGTGGAGGTCATCATTATGACTGTCAACAATTGCAGCTTGCTGTAATACAGT AGTGCTACCTAGGGTTAGAGAGGCACGCAAGGCTGTTTGCCTGCGCTAATAGCTCTGACT CTCTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGTACAATCTTGGCTTACTTCAACCTCCACCTCCCG GGTTCAAGCAATTCTTCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTTCAGGCGCATGCTGC CACACCTGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACGGGGTTTCACCATGTTGGTCATGCT GGTCTCGAACTCCTGACCTCGTGATCCGCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTAC

AGGCATGAGCCACTGCACCCGGCCTCTCATTCATTTTTTTCTTCATAGTTTTCTTGTCTGTTT ${\tt CCCAATTCTCAGCTCTTACTTTTGACTGCTGTTTGGTATGCTTGAATTTGGAATCCTCCAC}$ CCCCATGCCCATGCCTCCTTCTGATTTGCTGTGGTTTGGGAAAACAAATGATCCAGAT TGTTATGATTGGGTCTGAAGAGTGTGAGGGCCTCTTGGATGAGTAAATGCATAAGCTTTG ACTACGAAATTTTATGGTATCCTTTTTAACTGCTTAGAGGCATTTTTTTGCTTTCCTA TTTCTCAAGTGAAGATGTTAGGTAAGTGATTTTCAGATCATCGAGGGGCCGCTATACTAA CAGTTATTGCAATGTTAATATAGCATTAATAGTCCTTAATGTACACTTACTAGTGCTACA CCTTGTGCTAAGCTCTGTACATACAGGATCTCATTGAATTCTCATAATAAGCTCTCTGAG GTCAATACTGTTCAACTCCCTCATTTTACAGATGAGGAAACTGAGGTTCTGAGAAACGAA AACCTCCACTCTTAATCATGCTCTTACCTCCAAGGGAGCCTCTCTGTCCTTGCTAAGCCT CACTAAGCCCAAAGAACCTCAGACTGTAAGCATTTAGAAGTCATCAGACAAATATTCTT TCAAGTATATTGGCTAGGTTGTATTTTAAGAGAGTGAAGCCAGGGGATGGGTCAGCTGGG GCCAGAACTGGCTTCCCCCATTGTGAGAGTGAGATAGGTTCTTCTGCTGACATAGCACAT GACCTTGGCAAGTTAGTTCTTCTCTGAGCTTCAGTTTCCTCATTTGTAAAATAGGAGTAA TAATAATACCTAAAGGGGTGTTAGTGAGAATTAAATGAGATCATGGATCTGAAAAATGTT TTTAAAAATCTGTGTGGATCATTATGTGGTACTTTCAATAATAATAATAGGCCGGGTGCA GTGGCTCACACCTCTAATCCCAGCACTTTGGGAGACCGAGGCGGGTGGATCATCAGAGGT CAGGAGTTCAAGGCCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCTTGTCTCTACTAAAAAATACAA AAATTAGCCAGGCATGGTGGCAGGCACCTGTAGTCCCAGCTACTTGGGATGCTGAGGCAG GAGAATCACTTGAACCCGGGAGGTGGAAGTTGCAGTGGCCAAGATCACCCCACTGCACTC AATAATAATAATAATAGCTATCATTTGACAAGTATTAGTTTTAATTCATACAACAGCAAA CTGAGGCTAAGAGAGTTTGAATAACTTGCCCAAAGTTACACAACCGGTAAGTATAGAATT CATCTGCCTCTAAAGCCTATGTTCTCTCTACTTCCCTATTCTGCCTTTAAGAGATATGGT TCCACAGTATTGACTGAAAAACTGCATTGGTAGAGCAGATTAATTTTCGTCAATTATCTC ATGATTTTAAAATTTCTTAAAAATGGAAGCCTGCAAAATGACTTACAATTTCAATTTAG ACAAACTCTCAAAGCATAGGGCCTGTGGTTAGAATGAGTAGAATAAGAAAAGGGGACTAC GACAGAGTTTCGTTTTTGTTGCCCAGGCTGGAGTGCAATGGCACGATCTCGGCTCACTAC ATCCTCCACCTTCCAGGTTCAAGGGATTTTCCTGCCTTAGCCTCCCAAGTAACTGGGATT ACAGGTGCCCACCACCACGCCTGGCTAATTTTGTATTTTTAGTAGAAACGGGGTTTCTCC AAAGTGCTGGGACTATAGGCGTGAGCTACCATGCCCAGCCATAACACTCTTATTTTATAG ATGGGAAAACCAGGGCCCAAGGAACGAAATTGCCTTACCCAAGTCAATTACCAAGACACA CTACAAGTCACTGGCAGAGCCTGGACTACCTACGACTCAGGGGTCCTCACCCCCAGCCCG CATGCGTCCTTAGCTGACAACTTTCCTACTAGGAAACAGACTGCTGAGAACTGCTCAGAA CTGAAGGCAGGAGGGTCAAATATGTTTTCTGAGCCCAGCTCTGATTGTTTAGCAGTTGG CAGGCTGACTTAATTAGCTGGGGCGTGCAGTTCCTCTTTAACCTCCAGCTGCCAGCCTTC CCCTCACCCATGAGCGGGACAGTTTAGGCTGCAAAGTGAAGAGCCAAAGCCATTGGCCCTT AGGACTCTCAGGGCAAGATGACTTGTGAGAGCCCCCTTTTAGTTTGTCTCTCAGGCA CCCAACTCAAAGCCAAGACTCAGCTTAACATCACATCTGACCTCATGAGATTTCAGGCAA ACCAGGAGAGGGGACTTACTAAGACCTATATTTTGGCTAAGCAGAAAGGAGTCAGGCAAA CAGAGTTTAGACTAAGAGGTTCAGCCAAGGTCAGGAGAAGCAGAGATAGACAAGAGAGGGC TAAGCAGAGGAGGTCAGGGAATACACACTTAGAATCCTAAGCCAAAGCCTAGGGTTCCAT GGGTCTCAGGAAGAAGCCACAGACACAAAGCAGTACAGTCACAGCAAAAATGGAGTTTGG AGGCTGAGCGCAGTGGCTCACACCTGTAATGCTAACACTTTGGGAGGCCGAGGCGGCAG ATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGCCCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC TCAAACTACAAAAATTAGCCGGCGGGGTGGTGCACACCTGAAATCCCAGCTACCCGGGA GGCTGAAGCAGGAGAATCGCTGGAACCCAGGGGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCTAGATTGT

AAAATGTAAAAGAAAAAAATGCAGTTTGGTACTGAGCATTAGCCCTAGGAATCTCT TAGGGGACTGGACCTATCTTTGACAACGGAAATATGTTAGCTGGCAGCCAAACAGATAGT TCCCTGGCATAAGCTTTTCCCTGAGCCCTCAAGCCCCTGCCTCTTTAAGAAATACATGAA TAATCAGAGAGGAAGAAGCCACATAAGCCCTAGTGATCTCATTAATACTATGAGATCAAA TGTGGCCCTGTGTACATTATAGGAATCTTGGGAGGGCCCAGGAGATAATGTCGTTGTTTG TAGTTGGCCCTGTGGGTTTCTGTAGGGTTCCATCTTGTGTAAGAACCACATTCCTTTATT GTATCCTTTACAATCTAGTAATAGAGCCATTAGCCCCGGACCCCCTGCATTGTTCTTTTA CAAAATGTTCCTCAATACTCCCACTTGTTTATTCTTCCAGAAAGATTTTAGAATTATGTT AAGTTCTAAGAAAAAGTCCTCTTGGGTTTTTGAGATGGTTTTAAATCTAAATTTTAATTT GCACAGAAATTCATCAACCCATGACATCATTACAATATTTCATCTGCCCACTGGAGAAGG GTCAGAGGCATCTTCATTTTTGAAGTTTTCTATTTTCAGGAAATCATATGTGATAGCATC AGGTGTCTATGCCTGAGGTAATCTCAAGGTTCCTGAGAGAGGGAACATCTGTTCTTTCAG GGAAGCGGTGTTCTTATTCTTATTCCAGGAGGTGGGGCGGTATGGGGGGTTGAGGGGAGAA ACAAAAGAAGAACAAGTTCTATAGTAGCCTCGGGCCACCTGTGCTCTTTCCCCAGTGCTC TGGTGCTACTGATTGCTCAAGAGAAGGAAAGAAACATATTTGACCAGCGTGCCATAGAGA ATGAGCTACTGGCCAGGTAAGTAAAGGAAGGGGGACTTCTAGGTGTGGCTCCAGGATTAG GGGTGGGCACTCAGAACATAGCATCCATTCCCTCTGGCTCTTGCCCATTTTTCCCAGGA ACATCCATGTGATCCGACGAACATTTGAAGATATCTCTGAAAAAGGGGTCTCTGGACCAAG ACCGAAGGCTGTTTGTGTAAGCATTCCCAAGAATCCAGTGGAAGGCTGGTTTATGAAACT ACGCTGTGCTTCTATCAGAGCTGTTGACATTCTGGATCAGGGTCTCCTTAGAGATCATCT TAGTTTTCATATGCCCTAAGTTCCCAAAAGTTTTCTTGCCTCCCTAGTAAGGTGAGGTC AGGCCTGAGAAGCTGAGCTGGGCAGTCAGGGAGGAAGAGGAGCAGCTGGCTCATGCTGTG ATTGGTCTGGATGCCACTGTCTGAGCTCGAGCCTGGATTTGTGTTCCAAGCCAAGCCTTA TCCTTTTCTCTAGGGGCCACCACCAGGTAGATTTGGTGCTACATATTTGGGTAGCATTGC AGCACATATATTTAGACCTAGACCTTTGTGATTGTTAAAATTAAAACTGTCCATGGAATT TCACAATACCACTCACTGTTTTTCAAAATGTGCTTTTTATCATAACTAAACAAAGTAGTTA ATTTACTTTTCAGATAAACTAGACAATATCAAATAGGTCAAAGAAAAGGAAAAGACATTT AAAAAGCCTGTGTCTTAATCAGACTCATCATTTTTACATGTTTGCGTTTTCACCTTCACCC CTGCCATTAAAAATTTTTTCATTCTGGTTTCAGCTGCTTTAAGCAGTGGAAATATAAAGT GTGTTTTACTACACATGGCAGTATGATTCTGCTGCTCGGTAATTTCGAGCCAACATTTGT ATGCATTTACCAAATTTGATTCTAGTGACCTTCTTGTTCCTTCTGGCCTTCTTAGAATGA CTCTAAATCTGGCATATTCTAAAGTATTCTGTATGGCACACCTCCCTGTTTTCAGTGGAA GCCTGGTAGTGTGGATATCTACTTTCACTGGTTCCAGTGAACCCCTGACCAGGCTCCCA CTGTGGGCTGAATTTTGAAAAAGCCAAATTCATCTTGATGCACCCTGAAATAGATTGAAC CACTGAACAAATCAGTTATAATTTAACACAGCAGCCTTCTCCATCCTGTGTTCCAGGGAT GGCCAGGAAATTGCTGTGGTTTACTTCCGGGATGGCTACATGCCTCGTCAGTACAGTCTA CAGGTTGGTATTTTCTGTGAGACCATTCTTTGCCTCCTGGGACCCACAAGAGCTCCACAG AGACCCAATTCAGGCTTATAACAACCTGGGTTTTCCGAGTCCTCACTTCACTTCTTCTC AGGGAGCTTGCTAGAACCTCCTATCCTCCCTCAAGCCTTTTGCTACCTATCACTCTA CACAGTCTTCTAGAATTTGAATCCTCAGGAATCCACAGAGCTTCAGCCATTTACACTGTT TCCAGAGATGTGCTGGCAAATGTTTAACAACAATCAGCTCTCACTGGTTGATATAAGCCA GTTCCAGCATACTGCTGACCATTTTTTTTCCTGCCAACTCTTACCTTTACCTTAATCTGAA TCAGAAAGTTTTATCATCTCCTCATTCATGTTAATGACAGTTATATCACCTCATTTTGCT ATCCTACCATGTAGTTTCATTAGTTTCCACATCCATTATTTCATTTAACCCTCACAACCA CTCGGTGAGGCATATAATTATCCCCATTATACAGATGGAGAAACTAACGTTTAGAGAGAT GGAGAGGCTTCTCTAAGGCCCTACAGGAAGTTCCCAGGTTTTCTGACTTTCAGGCCGATG GTATTCCCATTCTCCTCTGCTCCTAACATCCACATCATGGAGAGGCTAAGAAGCTCT GCTCTCAGCTGGGAGATGATAAAGGAGGAAATAAGTTTAGAAATACCATGGGCAGTGAGC TGGAGGTCATGAGCTTGACTGCCTCTGTGTGATGATGGGCAAGTTCCTGACCCTTTCTAG GTCTGTTTCTATGAGCGGGGGGGGCTACACTAGAAAACTGAGGGGGCTCCTTCTAGGTCT GTAATTCATCTAGGACTCCCCCGAGGGTTGAGCTCCACATGAGGAGGCTCTATAGAGGT GGTATCTCGATAGAACATCCTTTTCTTTAGATAGGTGGTTAGCAGTGGTGGCAACTTGCT

GACTACAGGAGAGATAAACTGTCTATTAGAAAAATAGGTCTAGGCCGGGCACGGTGGTTC ACGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCAGGTGGATTACCTGAGGTCAGGAGT TCAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAAATACAAAAATTAGC CGGGCGTGGTGGCATACCCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGACGCTGAGGCAGGAGAATTG CTTGAGCCCGGGAGGCAGAGGTTGCAGTAAGTTGAGATCATGCCACTGCACTCCAGCCTG CACGACAAAGAAA CTTAGAAGAGTTTGAGATAACAAGGAAGGAAAGTAGTGTTTAAAGA GGTAGACTTTTTTTTTTTTTGAGACAGAGTTTTGCTCTTGTTGACCAGGCTGGAGTACA GTGGTGCGATCTCGGCTCACTGCAACCTTTGACTTCCAGTTTCAAGCGATTCTCCTGCCT CGGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCACCCACCACCACCCCAGCTAATTTTTGTAT TTTTAATAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTTAC GATCCACCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTTAGCCACCACACCTGG CCAAGAGGTAGACA TTTTTAGGGAACTGAGCAGCTCAGAGCAGGTTTAGACATGGAGAGA GATCTAGAAGGCTTAGTGACTTACTAGATGACCCTGGGCAAGTCCTTGCTTATCTTTGGT TTTGCTTTCCTGCTTCTACCATAATGGGGTATTTCTCTGGGTTTATTTCTGATGTTCTGG TCACGTGTGATTCTGCGTGGAATGCCAGACTAGTAGTTGGGTTCCTGGGGTTATTGATGA GGGGTCACAGGAGAGACCTGATCCTGCTGTGTGCAGTTTGCAGTGGTCTGGAGCCAAGGA CAGACTGTCTCCCCATTGCATGAGAATGGGAACCAGAGTTGGGAGGCATGATCCCCTGCT GTTTCCTTGCCTTTTATACCCTCAGCTCTTGTGGTAATAAACCATTCATCCTGTGATCAT CCACTTGAGACCTGTGTTCATATTATTCTCTTAGCCTGAGTATCCCTTCCCTATTGAGTC TCACTTGTCAGGCTCTACCTGTCCTTCAGAACCCCACTCAAATTTCAACTTATTCAGCAA CAACAACAATATTTATTGAGCAACTACAAAGTGCCAGGAACTGTGTTAGACACTGGAGA TACAACAGAAAATGAGGAAAATGATAAGAGCCCTGTGCTATGGAGCTCACAGTCTGGTCA GAGAAATGGGCATCAGAAAGTAAACAAAAATATGGCCATTTACTGTGGCTCGTACCTGTA ATCCCAGCACTTTGGGAGGCCTAGGTAGGTGGATTGCATGAGCTCAGGAGTTCAAGACCA GCCTGGGCAACATGGCAAAACCCCATCTCTACAAATAATACAAAAATTAGCTGGGTGTGG TGGCGTGCACCTGTAGTCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGAGGAGGATCACTTGAGCCC AGGAGGTAGAAGTTGCAGTGAGCCAAGATTGCGCTGTTGCACTCCAGTCTGGGTGACAGA AGGTAACTGCTTTCAATGAAACAACTGGGTAAAAAGAGAAATTATGGGAAATCCACATTAA ATAGAGTGGACAGGGAAGCCTTCTCTGAAAAGGTGACATTGAGCTGAGATGTAAGGATGG TAAGGATCCAGCTATGCATGGGAAAAGCCGAAAGGAAGGGGGTTTCAGGTTGAGGGAAAA GCAGTGCAGGCCCTGAGGAGGGAAAGAGCTTTGTGATTTGAGGAATGACAGGCCTGTGTG AGTAGAATGGCAGAGACTAGGAGTCAGGGATGGTACAAGGTTGAAAAAGTAGACAGGAGC CAGCTCCTGAAGGATCTTGAAGGCCATGGTAGGGAGTATGGAACACAGTGGGAAGCTGAG CACGTAGACAAATGTTCTACCCTTACACCTTCTATTGTTTCCCACAGATTGGGGGGATTCT TGCCTTTGCAGGGG CTCACAGTCTGGCACAATGATACATAACTACAACATATCACACCTG GCTCACAAGGATGTTAGAATGATCCTGGGTGATAATGAGGGTGAAGATACAAATCATGAT ACCTGGCACCTAATGGATGGATGTTCAGTAAACGTCAGCTGAAGTAAAATAAAGTCGAAT TCCTTTTGTCTTCCTCTGCAGAATTGGGAAGCACGTCTACTGCTGGAGAGGTCACA TGCTGCCAAGTGCC CAGACATTGCCACCCAGCTGGCTGGGACTAAGAAGGTGCAGCAGGA GCTAAGCAGGCCGGCATGCTGGAGATGTTGCTCCCTGGCCAGCCTGAGGCTGTGGCCCG CCTCCGCGCCACCTTTGCTGGCCTCTACTCACTGGATGTGGTACGTGGGCAGCCTGTTTC TCCTACCACAGGCCTCCTAGGTGGCAGAGACCTACAGCCCAATGTGTTGGGGAGGGTGGA GCTGGCATTGTGACAAGGGGAAGGTGGAGCTGGCAAGGTTGGTGATGCTCTGGAGAACCC CTAGAACTCTGAGCAGAAGGGCAGCCTCATAATGGAAGGATGGGGGCTGGAATCCATTGT TGGCAAGAATTGAGAAGTGTATCAGGCTGCCTGCAGAGCCCTGAGCTGTTGCTAAAG AAAGGCCTGTTCTCATTGCATCGGCTGCTGCAGGGGGTTTGTTGGGAGTGTCATCCAGAT GCTCTGCATAACCAGCTGGACCTAAGCTTCTTGCCTCTTTAGCCTTTAAACTTTTGATAA CTGCTTTCTGCCTCCTGCCAGGGTGAAGAAGGGGACCAGGCCATCGCCGAGGCCCTTGCT

TGCAGGGCTCCTCAATGAGAGGGACTAGCAGGCTGTGGCCAGTGCTCATTGGCACTTACT CTGGGCACAGTCCCGGGCATGGGGGAAACTATTGGAACTGACACAGGCCACATGTTGGAC AGTGTCCCCTAAGACCCTGTGACCAAGTCCGGGAGCACAGGGGAATCTGATTAACCAGCA TTGAAGGGTTTGGACAAGTTTTACCTGAGGTGCCTGTGGGTAGATTGTTGGGAAGTAGAG TAGGGTCATATTAGGAGACTGGAGAGAATACATGTCTGTTTTCCTTTCTAGTTTGAAACT CCTTGAGGTCAGGGGTCATGTCTGCCTCTCCAGAGGAGGAGTTTTTTTAATCTTTGTCT TAAGAGGTGGGTAGGAATTTCCCAGGTGGAAAGGAGGAAGAGTGTTCCATACAAAAGGGA CAACCTCAAGCCAAGGCACCGGGCCATGAAAGTGTGAGATGTTTGGAGGTTAATGAGAAA CTGGTGAGGCTGGAGGGGAGCTGGGAGGGGACAGGGATTTAGGCTGGAAAAATGGTTTG CATCCTGATTATAAAGGGCCTTGAATATATACTGAGAAATTGGATTTTATCTTAAGGGCA GTGGGAAGCCATTAGGGAGTTTTAAGCCAGGAAGGGACACATTGATCCAGGACTCAAGTG GTTAGCAGTGGTGGGAACTTGCAAAACTTACAGTTTCTGCATTGTAGAAGATGTCCTGGA ATGAGGGGAGACACTGGAAGCAGAAGACCGTGGAAGAGGCTGATACAGTTGTTCAGAAG AGCAACGTAGAGGCCTGGGCTAGGGCTATGACTATGGGGCCAACTGGAGAGACATGTCCT AGATAGTGAGAGGGTAGTGGAAGGGAGGTTAAATATGACTCAGGGGTACCTTTTGCCT GATTGGGAGTAGGAAGGTCCAGGAGGGGCAGGTTCAGGCAGAAGTAATAAGTTCTGCTTG GACAAGTTGAGTTTGTTTGGGGGCCAGTCATATGATGTCTAAGCAGGGAGCCTGCATTAA ATATTTGGAAGTTAACAATTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACGGATTCTCGCTCTGTCACCAG GCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTTGGCTCACTGCAACCACTGCCTCCCAGGTTCAAGCGA TTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACAGGTGTGCGCCACCACACCCAGCT AATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCATCATATTGGCCAGGATGGTCTCAATCT CTTGACCTCATGATCTGCCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCC ACCATGCCCGGCCGGAAGTTAACAATTTTTAGGGTATAGATGGAGACTCAGGAATAGGAG AGATCTCCTTGGGAAAATGTACATGGGGGAGAGAGCAAGCGTGGAGGACCAATTCCCCTG GGACCCCAGCATTTAAGAGAAGGAGCCAGCAATGGAGCTTGAGAAGGAACAGCTGTAGGT AGGAGGAGAACCAGGGCAGAACAGTGTAGTGGAAGATGTGTTCACTGCATGAGTAAGGGC TCTCCTGTCAAAGTGAGCTTCCCTCCTGAGAAGCCAGATATGCCCTGGCTTCACTGAGCG GGTGCCAGGAACTGAGGCTGCTGACTTGCCCATGTGGCCCCAAAAGTGAGGCATGGGAT GGAGGAGGTAGGCAGAGGGTCCAGGGTGACTGGCCAGTTTCATTGCAGGTAACAACCTAT ATGGGGAGGAAATGGTACAGGCCCTGAAACAGCTGAAGGACAGTGAGGAGAGGGCCTCCT ACATCCTCATGGAGAAGATCGAACCTGAGCCTTTTGAGAATTGCCTGCTACGGCCTGGCA GCCCTGCCCGAGTGGTCCAGTGCATTTCAGAGCTGGGCATCTTTGGGGTCTATGTCAGGT AGCCTAGAGGGGAACACTGGAAAGAGTCAGGAATCCTGGGCTTCGGTGCCAGCTCTGCCA ATCACTAGCTTTATTACCTGTTTCTTTATCTATTAAATGAGGCCAAGGACCCAAGACCTG CCCACCTTACCAGGGTATCAGATGAAGCCCTGATGAGAAGTCCTTTGCAACCGTGAAGGA AACTCCAAATAGCACCAAGAGGACTCAGAACACATGGTTTGACAACCTAGGACTAGAAGG AGACTCCAGAGAGGCATAGAGACTCTAAAATCCTAGCACTTTCTTGGTATAGACAGTTAC CCAGGTACTGCTCAGCTGGGTCCAGGGAAGGTCCTGGGTTTGGGGCTGAGTCCAGGTGAT GTGTGTCCCTGCCTCCATTTCTATAGGCAGGAAAAGACACTCGTGATGAACAAGCACGT GGGGCATCTACTTCGAACCAAAGCCATCGAGCATGCAGATGGTGGTGTGGCAGCGGGAGT GGCAGTCCTGGACAACCCATACCCTGTGTGAGGGCACAACCAGGCCACGGGACCTTCTAT CCTCTGTATTTGTCATTCCTCTCTAGCCCTCCTGAGGGGTATCCTCCTAAAGACCTCCA AAGTTTTTATGGAAGGGTAAATACTGGTACCTTCCCCCAGCTTTCCATCTGAGGACCAGA AAAGTTGTGTCTCCCTTAGATGAGATCTAGACGCCCCCAAATCCTTGAGATGTGGGTATA GCTCAGGGTAAGCTGCTCTGAGGTAAAGGTCCATGAACCCTGCCCCACTCCTGTCAGCCC CTCATCAGCCTTTTCAGCAGGTTCCAGTGCCTGACTTGGGATAGGACTGAGTGGTAGGAG GATTCAGTGATGATTCCTTACTTCGTGCATAGAGGGGAGGCGGAGCTGTAATCTACGTT AGCCCACTTAAGATGTATTAGAGCAGGGAAGTGACTGGTCTGTAATCAGGGTCCCCCTAG CTGGATCACAGGGAGGAATGAGAGTCCCTGGCAGGAGCCCAGGAGGGAAGGCAACCAAGA TGGGACATACATAACAGTTGTGAACTGGCTTCAGTCACTTTCCTGCTTAGCTCAGGGGCCT

23/36

TGTCAAAGGCCCTGTCAGTGAAGCCTCCTTCGCTCTGCCCAAACCAAAAGTTCTAGAAGG GCCACTAATGAATATACAGCCTCAGGGCACAGATACCTAAGAAAACAAGTCACCACTTCT TGAGATCACAGGCTTTATTCCTACAACCACAGGGCTTGAGCCTGACTGGGGCAAGAAAAC AGAGTTTCATCTGAGAATGTCTCTTATGGGCTGGGTTCTGTTCAGGGGAGGGTGGGAACA GAGGACAAGGAAGACAAGCTCCTCTGGCCCTAGGAACAAAACACATTTACTCCTTCAAAG AAGCAGATGATCTGAATACCCTCTGGAGACTGAATCTGCCCATACAGCCCCTGGAGCCAA TGGGCAGACAGTACTGGCATCTGGCACAAAAGGGAATTCAGACCCAGAACAGAAGCAGCA AAATATTTTAAAAATAGTAAATTGTTCCTGGACTCACAAATCATTGTTTTTAAGGGCAAG TGCATGCCCAATATAAGTACTGGGGCTTCCTAAGAGAGCTGACATAGGATTACACAGCTG CCTCCTGCTTCAGTGGAGGCCCTCACATCCCCTTTGAACACTTAACTTGGGTAGGAGAG GTAGCCTTTTCGTCTCTGTTCTGGGTTCTGAGAGCTCTGCAGTCTGGAGGCACAGCAGAC TGAGGCTGACCTGGGCCTGTCCTTTCTGCCTGGCAGTCACAGGATGTTGTCTCTACCTG GAGACAAAGCTGGTTTCCGGTCCCAGA CAGCTGGTCAAGGGAGGGTAGTGTGGGTCAACA CTGGCCCTCAGCACTCCTGAGGGGGCAAAGAGGATGGGCAAAGTTTGGAGCAGGAGGAAT CCTA

Figure 8

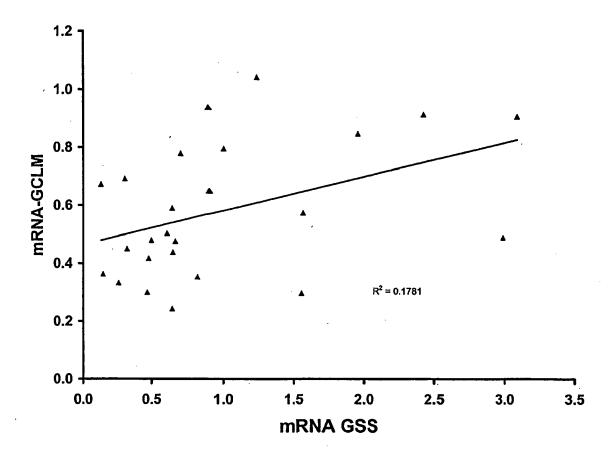


Figure 9

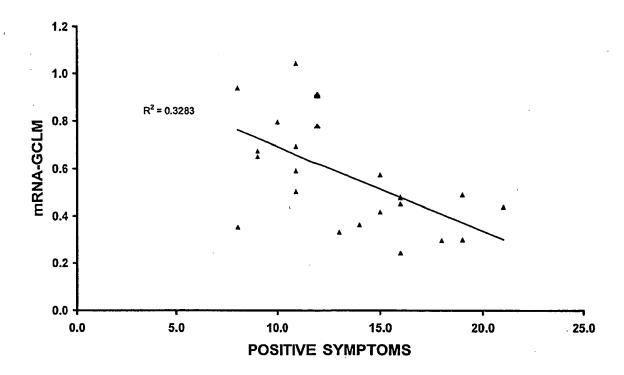


Figure 10

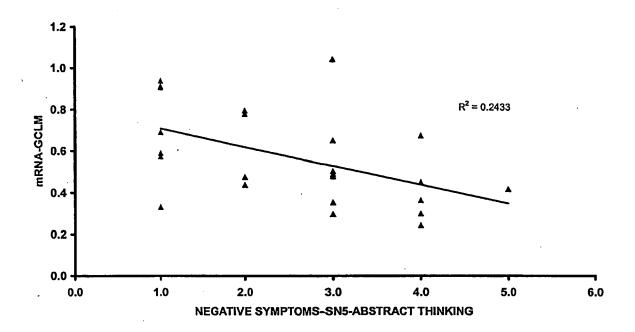


Figure 11

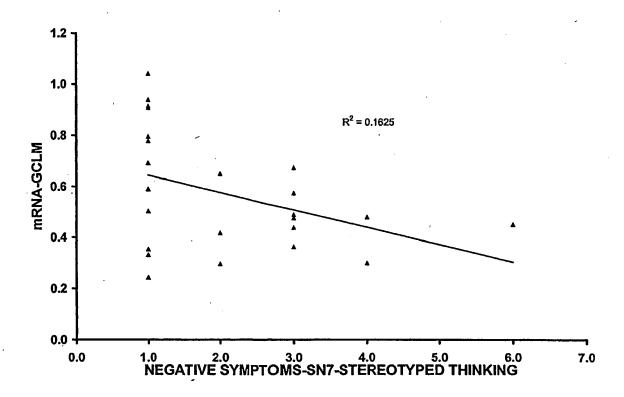


Figure 12

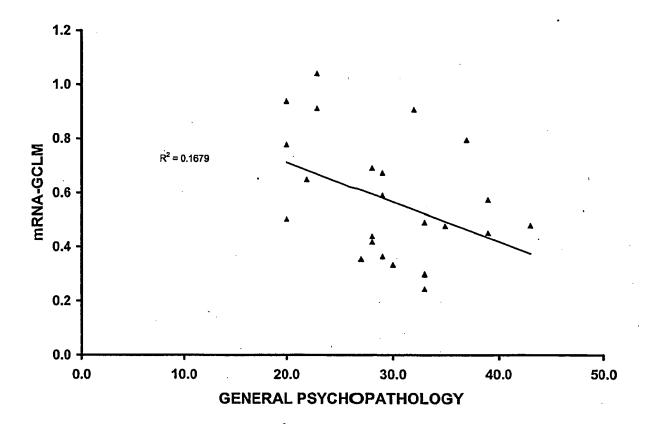


Figure 13

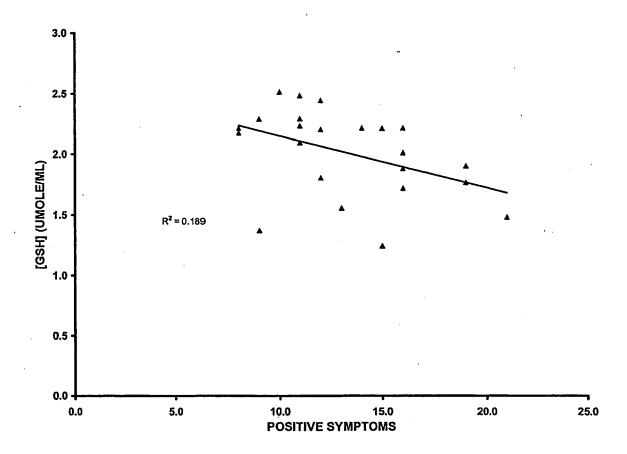


Figure 14

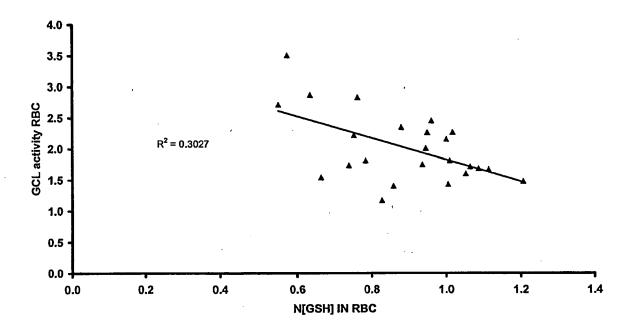


Figure 15

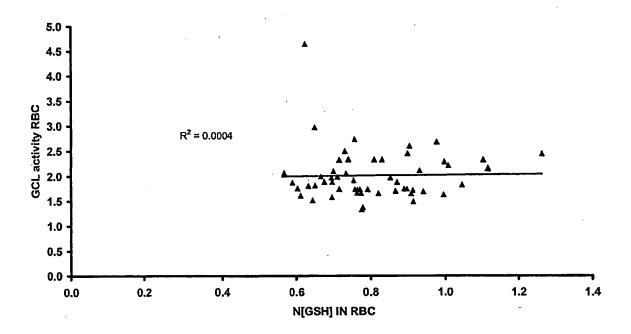


Figure 16

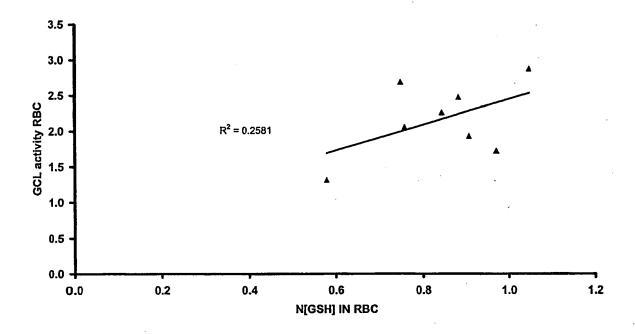


Figure 17

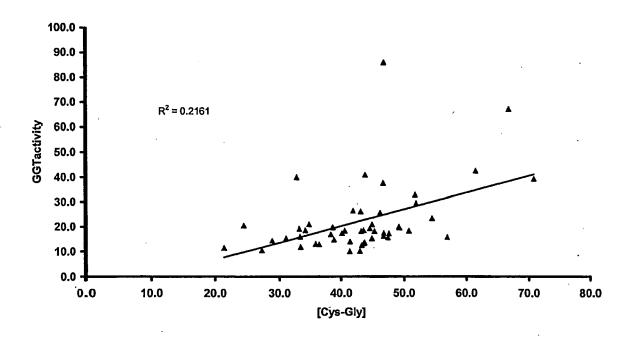


Figure 18

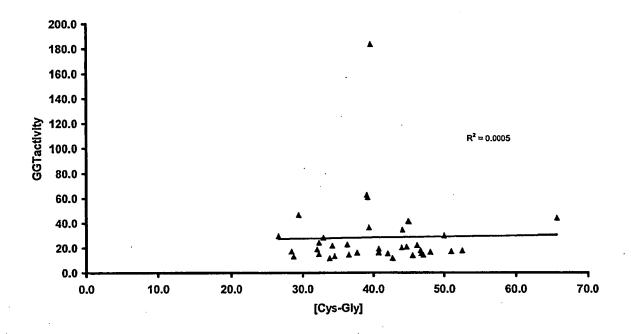


Figure 19

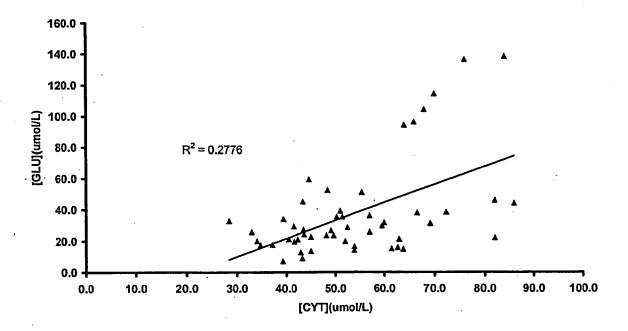


Figure 20

